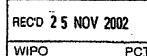
PCT/KR 0 2 / 0 1 9 7 5

RO/KR 22.1 0.2002





This is to certify that the following application annexed hereto is a true copy from the records of the Korean Intellectual Property Office.

워

10-2002-0021488

Application Number

PATENT-2002-0021488

Date of Application

2002년 04월 19일

APR 19, 2002

ଧ

김인산 외 1명 KIM, IN SAN, et al.

Applicant(s)

년 2002 10

COMMISSIONER

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

BEST AVAILABLE COPY

출력 일자: 2002/11/12

【서지사항】

【서류명】 특허출원서

[권리구분] 특허

【수신처】 특허청장

[제출일자] 2002.04.19

【발명의 명칭】 eta i g - h 3 단백질의 정량방법 및 이를 이용한 진단킷트

【발명의 영문명칭】 Method for measuring quantity of  $\beta$  i g-h 3 protein

and diagnosis kit using the same

【출원인】

【성명】 김인산

【출원인코드】 4-1999-051926-0

[출원인]

【명칭】 주식회사 리젠 바이오텍

【출원인코드】 1-2000-037614-6

【대리인】

【성명】 이원희

【대리인코드】9-1998-000385-9【포괄위임등록번호】2000-026063-1【포괄위임등록번호】2000-066599-3

[발명자]

【성명】 김인산

【출원인코드】 4-1999-051926-0

【발명자】

【성명의 국문표기】 배종섭

【성명의 영문표기】BAE, Jong-Sub【주민등록번호】750429-1768219

【우편번호】 704-824

【주소】 대구광역시 달서구 송현1동 1940-2

[국적] KR

[우선권주장]

[출원국명] KR

[출원종류] 특허

출력 일자: 2002/11/12

【출원번호】

10-2001-0020991

[출원일자]

2001.04.19

[증명서류]

첨부

【심사청구】

청구

【핵산염기 및 아미노산 서열목록】

【서열개수】

10

【서열목록의 전자파일】

첨부

【취지】

특허법 제42조의 규정에 의하여 위와 같이 출원합니다. 대

리인

이원

희 (인)

【수수료】

【기본출원료】

20

면 면 29,000 원

【가산출원료】

57

57,000 원

【우선권주장료】

1 건

26,000 원

【심사청구료】

12 항

493,000 원

【합계】

605,000 원

【감면사유】

소기업 (70%감면)

【감면후 수수료】

199,700 원

[첨부서류]

1. 요약서·명세서(도면)\_1통 2.소기업임을 증명하는 서류\_1

=

출력 일자: 2002/11/12

【요약서】

[요약]

본 발명은 βig-h3 단백질의 정량방법 및 이를 이용한 진단킷트에 관한 것으로서, 구체적으로 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질 및 그의 항체를 항원-항체 반응 방법에 사용하여 피검시료 체액 중에 포함된 βig-h3 단백질 의 양을 측정하는 방법 및 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질 및 그의 항체를 포함하는 신장 질환, 간 질환 및 류마티스 질환 등의 진단킷트에 관한 것이다. 본 발명의 βig-h3 정량방법 및 진단킷트는 신장 질환, 간 질환 및 류마티스 질환을 비롯한 각종 질환의 손상정도 및 진행정도를 조기에 예민하게 반영하는 효과적인 검사 방법으로 유용하게 사용할 수 있다.

【대표도】

도 10

출력 일자: 2002/11/12

# 【명세서】

#### [발명의 명칭]

eta i g-h 3 단백질의 정량방법 및 이를 이용한 진단킷트 $\{Method\ for\ measuring\}$ quantity of  $\beta$  i g-h 3 protein and diagnosis kit using the same

# 【도면의 간단한 설명】

도 1은 βig-h3 재조합 단백질의 구조를 나타내는 모식도이고,

I. II, III 및 IV : 각 도메인(domain),

☑ 및 図 : 염기 서열이 보존된 영역

A;  $\beta$  ig-h3,

B ; 인간 β ig-h3, C ; 마우스 β ig-h3

도 2는 βig-h3의 IV 도메인(domain)의 반복에 의해 재조합된 βig-h3 D-IV 단백질 들의 기하학적 구조를 나타내는 개략도이고,

A;  $\beta$  ig-h3,

B;  $\beta$  ig-h3 D-IV(1x), C;  $\beta$  ig-h3 D-IV(2x),

D;  $\beta$  ig-h3 D-IV(3x), E;  $\beta$  ig-h3 D-IV(4x)

도 3은 분리된  $\beta$  ig-h3 재조합 단백질의 전기영동(electrophoresis) 사진이고,

1; 인간 β ig-h3,

2 ; 마우스 β ig-h3

도 4는 βig-h3 D-IV(1x, 2x, 3x, 4x) 단백질들을 전기영동법으로 확인한 사진이고,

1;  $\beta$  ig-h3 D-IV(1x),

2;  $\beta$  ig-h3 D-IV(2x),

3;  $\beta$  ig-h3 D-IV(3x),

4;  $\beta$  ig-h3 D-IV(4x)

.0021488

출력 일자: 2002/11/12

도 5는 일차 항체를 이용하여 웨스턴 블럿(western blot)으로 인간  $\beta$  ig-h3와 마우스  $\beta$  ig-h3를 확인한 결과를 보여주는 전기영동 사진이고,

1; 인간 βig-h3,

2 ; 마우스 β ig-h3

도 6은 ELISA(enzyme-linked immunosorbent assay)의 원리를 보여주는 개략도이고,

도 7은 일차항체의 정량적 비율을 나타낸 그래프이고,

**♦**; 1: 200,

**;** 1 : 400,

**▲** ; 1 : 800,

 $\times$ ; 1: 1600,

**\*** ; 1 : 2000,

**●** ; 1 : 3200

도 8은 이차항체의 정량적 비율을 나타낸 그래프이고,

A ; 1:1600으로 일차항체 고정,

B ; 1:2000으로 일차항체 고정,

◆ ; 1:1000으로 이차항체 희석,

■ ; 1:2000으로 이차항체 희석,

● ; 1:3000으로 이차항체 희석

도 9는 인간 βig-h3 단백질의 코팅 농도를 나타낸 그래프이고,

 $\Rightarrow$  ; 0.5  $\mu$ g/ml,

 $\blacksquare$  ; 1.0  $\mu$ g/ml

도 10은 교차실험을 통하여 인간  $\beta$  ig-h3 단백질과 마우스  $\beta$  ig-h3 단백질을 표준 단백질로 사용할 수 있음을 보여주는 그래프이고,

 ÷ 인간 β ig-h3 단백질 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 인간 β ig-h3 항체
 1:2000, 이차항체 1:2000,

■ ; 인간 βig-h3 단백질 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 마우스 βig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000,

0021488

▲ ; 마우스 βig-h3 단백질 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 인간 βig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000,

×; 마우스 β ig-h3 단백질 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 마우스 β ig-h3 항체 1:2000. 이차항체 1:2000

도 11은 교차실험을 통하여 재조합  $\beta$  ig-h3 D-IV(1x) 단백질과 재조합  $\beta$  ig-h3 D-IV(4x) 단백질을 표준단백질로 사용할 수 있음을 보여주는 그래프이고,

A의 ◆ ; β ig-h3 D-IV(1x) 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 인간 β ig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000,

A의 ■ ; β ig-h3 D-IV(4x) 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 인간 β ig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000,

B의 ◆ ; βig-h3 D-IV(1x) 코팅 농도 0.5 μg/μℓ, 일차 항 마우스 βig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000,

B의 ■ ; β ig-h3 D-IV(4x) 코팅 농도 0.5 μg/ml, 일차 항 마우스 β ig-h3 항체 1:2000, 이차항체 1:2000

도 12는 신장조직 내에서 eta ig-h3의 발현 양상을 보여주는 면역조직화학적 염색 사진이고,

A의 ▶ ; S3 근위 세관 세포(proximal tubular cell)의 기저막에서의 발현 양상,

B의 ▶ ; 사구체의 보우만낭(Bowman's capsule)의 기저막에서의 발현 양상

출력 일자: 2002/11/12

B의 → ; 피질 후 상지 세포(cortical thick ascending limb cell)의 기저막에서의 발현양상

도 13은 당뇨병 유발 래트의 소변에서 βig-h3를 측정한 결과를 보여주는 그래프이고,

; 대조군,

□ ; 스트렙토조토신(streptozotocin)을 투여하여 당뇨병을 유발한 래트

도 14는 도 13의 당뇨병 유발 래트의 소변에서 βig-h3를 측정한 결과를 각 개체 별로 나타낸 그래프이고,

도 15는 신장 이식 후 정상인 경우(normal), 이식 받은 신장의 크기가 작은 경우 (Nephron underdose), 만성거부(chronic rejection), 신우염의 재발(Recurrent GN) 및 사이클로스포린 독성(CyA toxicity)이 나타난 경우를 분류하여 소변의  $\beta$  ig-h3 단백질의 농도를 측정한 그래프이고,

도 16은 신장이식 수술후 국소성분절성사구체경화증(focal segmental glomerulosclerosis (FSGS))이 재발하여 혈장교환술(plasmapheresis)치료를 받는 환자의 날짜에 따른 βig-h3 단백질의 농도를 측정한 그래프이고,

도 17은 살아있는 사람의 신장(Living donor)이나 사망한 사람의 신장(Cadaver donor), 이식한 신장의 크기가 작아서 신기능이 충분하지 않은 경우(Underdose) 또는 거부(Rejection) 환자의 소변에서 신장이식 전후의 βig-h3 단백질의 농도를 측정한 그래프이다.

출력 일자: 2002/11/12

【발명의 상세한 설명】

【발명의 목적】

【발명이 속하는 기술분야 및 그 분야의 종래기술】

본 발명은 βig-h3 단백질의 정량방법 및 이를 이용한 진단킷트에 관한 것으로서, 구체적으로 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질 및 그의 항체를 항원-항체 반응에 사용하여 피검시료 체액 중에 포함된 βig-h3 단백질의 양을 측정하는 방법 및 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질 및 그의 항체를 포함하는 신장 질환, 간 질환 및 류마티스 질환 등의 진단킷트에 관한 것이다.

.0021488

위한 것으로 보여진다. TGF- $\beta$  발현에 관한 최근 연구에서 TGF- $\beta$  mRNA가 정상 피부의 상피나 급성 및 만성 창상에서 재생되는 상피층에서 발현되고, TGF- $\beta$ 1 mRNA는 정상 피부와 만성 창상에서는 발현되지 않으나 급성 창상에서 재생되는 상피층에서 발현되며, TGF- $\beta$ 2 mRNA는 발현되지 않는다는 것이 밝혀졌다(Schmid, P. et al., *J. Pathol.*, 1993, 171, 191). 아직까지 상기 기작에 대한 정설이 확립된 것은 아니지만 TGF- $\beta$ 가 재상피화에 큰 역할을 할 것으로 예측된다.

출력 일자: 2002/11/12

상기한 TGF-β의 관련 유전자로 알려진 βig-h3는 스토니어 등에 의해 처음 동정된 유전자로, TGF-β1을 처리한 인간의 허파 선암종(lung adenocarcinoma) 세포주인 A549 세포주에서 cDNA 라이브러리 스크리닝(differential screening) 자료의 선별 중 동정되었으며, TGF-β1으로 처리한 후 2 일만에 20 배 이상의 증가를 보이는 것으로 보고되었다(Stonier, J, et al., DWA cell Biol., 1992, 11, 511). DNA 서열분석에 의하여 β ig-h3 단백질은 아미노 말단 분비 서열(amino-terminal secretory sequence)과 몇 가지인테그린에 대한 리간드 식별(ligand recognition)이 가능한 카르복시 말단 (carboxy-terminal) Arg-Gly-Asp(RGD) 서열을 가진 서열번호 1로 기재되는 683개의 아미노산으로 구성되어 있음이 밝혀졌다.

<51> β ig-h3는 RGD 모티프와 함께 상동성을 지닌 4개의 내부 반복

출력 일자: 2002/11/12

도메인(internal repeated domain)을 포함하는데, 이들은 포유류, 곤충, 성게(sea urchin), 식물, 효모 및 세균을 포함하는 여러 종의 분비 단백질 또는 막 단백질에서 매 우 보존적인 서열로서 발견된다. 상기 보존적 서열을 포함하는 단백질들에는 페리오스 틴(periostin), 파스시클린 I(fasciclin I), 성게 HLC-2, 알갈-CAM(algal-CAM) 및 마 이코박테리움 MPB70(mycobacterium MPB70) 등이 포함된다. (Kawamoto, T. et al., ., 1998, 1395, 288). 이러한 단백질들에서 보존적으로 발견되는 상동성 도메인(이하 "파 스-1(fas-1)도메인"이라 약칭함)은 110 내지 140개의 아미노산으로 구성되며 약 10개의 아미노산으로 구성된 매우 보존적인 두 개의 가지(H1 및 H2)를 포함하고 있다. 상기 단 백질들 중 βig-h3, 페리오스틴 및 파스시클린 I은 4개의 파스-1 도메인을 가지며, HLC-2는 2개, MPB70은 오직 한 개의 파스-1 도메인을 가지고 있다. 상기 단백질들의 생 물학적 기능이 정확하게 밝혀진 것은 아니지만, 이들 중 몇몇이 세포 부착 분자(cell adhesion molecule)로서 세포 부착(attachment)과 탈착(detachment)을 매개하는 것으로 알려져 있다. 예를 들면, βig-h3, 페리오스틴 및 파스시클린 Ι은 각각 섬유아세포, 골아세포 및 신경세포의 부착을 매개하는 것으로 보고되었으며, 알갈-CAM은 조류 볼복스 (Vovolx)의 배(embryos)에 존재하는 세포 부착 분자임이 밝혀졌다(LeBaron, R. G., et al., J. Invest. Dermatol., 104, 844, 1995; Horiuchi, K. et al., J. Bone Miner. Res., 1999, 14, 1239; Huber, O. et al., ., 1994, 13, 4212).

성제된 β ig-h3 단백질은 피부 섬유아세포의 부착과 확산을 촉진시키는 한편 무혈
청배지에서 A549, HeLa 및 WI-38 세포의 부착을 저해한다. 특히, β ig-h3은 종양세포의

20021488

성장, 콜로니 형성 및 출현을 저해하는 것으로 알려져 있으며, 실예로 차이니즈 햄스터의 난소 세포(Chinase hamster ovary cells)에 βig-h3 발현벡터를 전이(transfection)시킨 누드 마우스에서 상기 세포들의 종양 형성능이 현저하게 감소된다는 것이 미국특허제5,599,788호 및 제5,714,588호에 개시되어 있다. 또한, 빠르고 효과적인 상처 치유를위하여 유효한 양의 βig-h3을 상처와 접촉시킴으로써 세포, 특히 섬유아세포가 상처부위에 퍼지고 점착하는 것을 촉진시킬 수 있는 방법이 상기 특허들에 개시되어 있다. 따라서, βig-h3는 여러 세포에서 TGF-β에 의해 고도로 유도되는 세포 부착 분자로서 세포 성장(cell growth), 세포 분화(cell differention), 창상 치유(wound healing), 형태형성(morphogenesis) 및 세포 부착(cell adhesion)에 있어 매우 중요한 역할을 담당한다.

상기와 같이 β ig-h3는 의학적으로 여러 가지 유용성이 기대되는 물질이면서도 생체내에서 국소량밖에 채취할 수 없어 안정적인 공급이 곤란한 문제점이 있다. 이러한 문제점을 해결하기 위하여 유전자 재조합에 의하여 진핵생물 세포계에서 발현시켜 제조하는 방법이 개발되었으나, 진핵생물 세포계에서 발현시키는 경우 β ig-h3를 만들어내는 세포는 만들지 않는 세포보다 세포의 성장이 훨씬 느리므로 충분한 양의 세포수를 확보하기 어렵다. 따라서 본 발명자들은 대장균을 숙주로 하여 β ig-h3 단백질의 전체 및 그 일부 도메인을 포함하는 제조합 단백질을 대량 발현시키는 정제 방법을 확립하고, 재조합 단백질이 세포 부착 및 확산을 지지하는 것을 확인하여 출원한 바 있다(대한민국특허출원 제2000-25664호).

한편, 세포 부착 분자로서 βig-h3의 세포 부착 활성은 인간의 피부 섬유아세포 <54> (dermal fibroblasts)에서 최초로 보고된 후 연골아세포(chondrocytes), 복막 섬유아세 포(peritoneal fibroblasts) 및 인간의 MRC5 섬유아세포 등에서도 보고되었다. 이러한 βig-h3의 세포 부착 활성은 초기에는 βig-h3의 카르복실-말단에 존재하는 RGD 모티프 에 의해 메개되는 것으로 여겨졌으나, RGD 모티프가 연골아세포의 분산을 촉진하는데 필 요하지 않으며 카르복실-말단 프로쎄싱(carboxyl-terminus processing)에 의해 RGD 모티 프가 결실된 성숙한 형태의 βig-h3이 세포 부착을 억제할 수 있음이 보고되면서 RGD 모 티프가 βig-h3의 세포 부착 활성을 매개하는데 필수불가결한 요소가 아님이 확인되었다. 또한, 최근의 연구 결과에서 eta ig-h3는 인테그린 lpha 1 eta 1을 통해 섬유아세 포의 분산을 증가시키는 반면 eta ig-h3의 RGD 모티프는 eta ig-h3-매개성 세포 분산에 요구 되지 않으며, eta ig-h3가 독자적으로 인테그린 lpha 1eta1과 작용하여 세포의 유착과 확장을 촉진시킬 수 있다는 것이 밝혀졌다(Ohno, S., et al., *Biochim. Biophys. Acta,* 1999, 1451, 196). 또한, βig-h3 내 보존적 H1 및 H2 펩타이드 역시 βig-h3-매개성 세포 부 착에 효과적인 영향을 미치지 못하는 것이 확인되었다. 이러한 결과는 eta ig-h3의 세포 부착 활성을 위한 필수적인 아미노산이 H1 및 H2 지역이 아닌 다른 곳에 존재함을 의미 하며, βig-h3의 반복 파스-1 도메인 뿐만 아니라 다른 단백질들의 파스-1 도메인들과의 상동성을 비교한 컴퓨터 분석 결과 역시 H1 및 H2 이외에도 여러 개의 매우 보존적인 아미노산이 존재하여 이들이 세포 부착 활성에 관여할 수 있음을 제시하였다.

따라서, 본 발명자들은 세포 부착 및 탈착 활성에 관여하는 보존적 모티프를 밝히 .
 고 이를 포함하는 펩타이드를 제조하고자 연구한 결과, 세포 부착 분자로서 알려진 β
 ig-h3의 제 2 및 제 4 도메인을 이용하여 기능적 세포 수용체로서 α3β1 인테그린과 결

0021488

합하여 세포 부착 및 탈착 활성을 매개하는 폡타이드 NKDIL 및 EPDIM 및 그의 유도체를 제조하고,  $\beta$  ig-h3의 제 2 및 제 4 도메인 내 H2 지역 근처에 위치하는 두 개의 매우 보존적 아미노산인 아스파르트산(aspartic acid, Asp) 및 이소루이신(isoleucine, Ile)이 세포 부착 및 탈착 활성을 위한 필수적인 아미노산으로 작용함을 밝혀 특허출원한 바 있다(대한민국 특허출원 제2000-25665호).

- 한편, 지금까지 βig-h3는 인간에 있어서의 몇몇 종양과의 관련성 외에는 βig-h3 가 직접적으로 다른 질환과 관련이 있다는 보고는 없는 실정이고, 특히 βig-h3 단백질의 발현과 신장질환, 간질환 및 류마티스의 발병과의 직접적인 관계에 대해서는 전혀 알려져 있지 않으며 체액에서 βig-h3 단백질의 양을 측정하여 질환과 연결할 수 있을 가능성에 대해 전혀 보고된 바 없다.
- 이에, 본 발명자들은 βig-h3 또는 βig-h3의 4번째 파스-1 도메인을 여러 개 연결하여 재조합한 단백질을 βig-h3 측정시의 표준단백질로 사용하는 βig-h3의 정량방법 및 이를 이용하여 βig-h3를 정량하는 진단킷트를 개발하고 상기 방법을 이용하여 신장 질환, 간질환 및 류마티스를 비롯한 여러 질환을 조기에 예민하게 진단하고 치료에 대한 반응정도 예후 판정을 할 수 있음을 밝힘으로써 본 발명을 완성하였다.



[발명이 이루고자 하는 기술적 과제]

본 발명의 목적은 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질을 사용한 βig-h3 단백질의 정량방법 및 상기 정량방법을 이용한 진단킷트를 제공하는 것이다.

# 【발명의 구성 및 작용】

- 성기 목적을 달성하기 위하여, 본 발명은 βig-h3 단백질을 정량하는 방법을 제공한다.
- 또한, 본 발명은 상기 β ig-h3 단백질의 정량방법을 이용한 신장 질환, 간질환 및
   류마티스 질환의 진단킷트를 제공한다.
- <61> 이하, 본 발명을 상세히 설명한다.
- <62> 본 발명의 β ig-h3의 정량방법은
- (63) 1) β ig-h3 단백질 또는 β ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질을 제조하는 단계(단계 1);
- <64> 2) 상기 단계 1의 단백질에 대한 항체를 제조하는 단계(단계 2); 및
- (65) 3) 상기 단계 1의 단백질 및 단계 2의 항체를 항원-항체 반응을 이용한 정량방법에 사용하여 피검시료 중에 포함된 β ig-h3 단백질의 양을 측정하는 단계(단계 3)로 구성 된다.

.0021488

- 상기 단계 1에서 βig-h3 단백질은 서열번호 3으로 기재되는 아미노산 서열을 가지는 인간 βig-h3 단백질 또는 서열번호 5로 기재되는 아미노산 서열을 가지는 마우스 βig-h3 단백질이다. 인간과 마우스의 βig-h3 단백질 구성요소는 도 1에 나타내었으며, 도 1에서 해칭된 칸과 크로스 해칭된 칸은 반복되는 파스-1 도메인인 I, II, III, IV의 매우 보존된 서열을 나타내며 빈칸은 RGD 모티프를 나타낸다.
- 67> βig-h3 단백질은 4개의 파스-1 도메인을 갖고 있는데, 상기 단계 1의 βig-h3의 파스-1 도메인은 βig-h3 단백질의 1번째 내지 4번째 파스-1 도메인 중에서 선택되는 하나 또는 둘 이상의 도메인을 사용할 수 있고, 4번째 파스-1 도메인이 사용되는 것이 바람직하다. 또한, 상기 4번째 파스-1 도메인은 단독으로 또는 여러개 반복연결한 재조합 단백질로 사용될 수 있으며, 1 ~ 10개 연결한 것이 바람직하며, 1 ~ 4개 연결한 재조합 단백질을 사용하는 것이 더욱 바람직하다. 본 발명에서는 바람직한 실시예로서 βig-h3의 4번째 도메인을 1개, 2개, 3개 또는 4개 연결하여 재조합한 단백질을 사용한 경우를 예시하였다.
- 본 발명에서는 βig-h3의 아미노산 서열 중 502부터 632까지의 제 4 파스-1 도메인을 각각 1개 내지 4개 포함하는 각각 서열번호 7, 서열번호 8, 서열번호 9 및 서열번호 10으로 기재되는 아미노산 서열을 가지는 단백질을 제조하였으며, 이를 각각 "βig-h3 D-IV(1x)", "βig-h3 D-IV(2x)", "βig-h3 D-IV(3x)" 및 "βig-h3 D-IV(4x)"라 명명하였다(도 4 참조).
- <69> 본 발명의 표준단백질을 제조함에 있어서 발현벡터와 형질전환은 통상의 방법으로 행해질 수 있다.

 상기 단계 2의 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 항체는 상기 단계 1의 단백질 또는 재조합 단백질을 항원으로 사용하여 일차항체를 제조하였다. 상 기 일차항체의 제조는 통상적인 방법으로 행해질 수 있으며, 모노클로날 항체 또는 폴리 클로날 항체를 사용할 수 있다.

상기 단계 3의 피검시료 중에 포함된 βig-h3 단백질의 양을 측정하는 것은 항원-<71> 항체 결합을 원리로 하는 모든 정량분석방법이 사용될 수 있으며, 면역블릿팅(Current Protocols in Molecular Biology, vol 2, chapter 10.8; David et al., Cells(a Laboratory manual), vol 1, chapter 73), 면역침전법(Current Protocols in Molecular Biology, vol 2, chapter 10.16; Cells(a Laboratory manual), vol 1, chapter 72), ELISA 방법(Current Protocols in Molecular Biology, vol 2, chapter 11.2; ELISA Theory and Practice, John R. Crowther; The ELISA Guidebook, John R. Crowther), RIA(Radioimmuno assay)(Nuklearmedizin 1986 Aug ;25(4):125-127, Tumor markers as target substances in the radioimmunologic detection of malignancies. von Kleist S; Mariani G. Ann Oncol 1999 ;10 Suppl 4:37-40), 단백질칩(Daniel Figeys et.al, Electrophoresis 2001, 22, 208-216; Albala JS. Expert Rev Mol Diagn 2001 Jul;1 (2):145-152). 래피드 어세이(rapid assay)(Kasahara Y and Ashihara Y, Clinica Chimica Acta 267 (1997), 87-102; 대한민국 특허출원 2000-46639) 또는 마이크로어레이(microarray)(Vivian G. cheung et al, Nature genetics 1999, 21, 15-19; Robert J. Lipshutz et al, Nature genetics 1999, 21, 20-24; Christine Debouck and Peter N. Goodfellow, Nature genetics 1999, 21, 48-50; DNA Microarrays, M. Schena)로 구성되는 군으로부터 선택되는 방법을 사용하는 것이 바람직

하고, ELISA 방법을 사용하는 것이 더욱 방람직하다. 또한, ELISA 방법과 더불어 공지의 생물학적 마이크로칩(biological microchip) 및 자동화된 미세배열 시스템 (microarray system)을 이용하여 대량으로 시료를 분석할 수 있 수 있으며, 소변에서는 간편한 형태의 자가 진단법으로 개발될 수 있다.

- 전 보명의 실시예에 따르면, 위에 열거된 여러 방법 중 ELISA를 이용하여 경쟁법(competition assay)으로 상기 βig-h3 단백질의 양을 측정하는 것은
- <73> 1) β ig-h3 단백질 또는 β ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질을 기질에 코팅시키는 단계(단계 1);
- <74> 2) 상기 단계 1의 단백질에 대한 항체를 피검시료와 반응시키는 단계(단계 2);
- <75> 3) 단계 1의 코딩된 단백질에 단계 2의 반응물을 첨가하여 반응시킨 후 세척하는 단계(단계 3); 및
- 4) 단계 3의 반응물에 2차 항체를 첨가하여 반응시키고 흡광도를 측정하는 단계(단계 4)를 포함한다.
- 생기 단계 1의 기질은 통상적으로 사용되는 모든 기질을 사용할 수 있고, 니트로셀 를로오즈 막, 폴리비닐(Polyvinyl) 수지로 합성된 플레이트(예; 96 웰 플레이트), 폴리스티렌 (Polystyrene) 수지로 합성된 웰 플레이트 및 유리로 된 슬라이드글라스 등이 사용될 수 있다.

20021488

- 또한, 상기 단계 4의 2차 항체에는 효소, 형광물질, 발광물질, 방사선 물질 또는 금속킬레이트를 표지하여 사용한다. 표지 물질은 통상적으로 사용되는 모든 것을 사용할수 있고, 발색효소는 과산화효소(peroxidase), 알칼라인 포스파타제(Alkaline Phosphatase), β-D-갈락토시다제, 말레이트 탈수소효소, 스타필로코커스 누클리아제, 서양고추냉이 과산화효소, 카탈라제, 아세틸콜린 에스터라제 등을 사용하는 것이 바람직하며, 형광물질은 이소티오시아네이트(fluorescein isothiochanate), 피코빌린 (phycobilin) 단백질, 로다민(rhodamine), 피코에리트린(phycoerythrin), 피키시아닌 (phycocyanin), 오르토프탈릭 알데히드(orthophthalic aldehyde)등을 사용하는 것이 바람직하다.
- (isolumino), 루시게닌(lucigenin), 루미놀(luminol), 방향족 아크리딘에스테르 (acridiniumester), 이미다졸, 아크리딘 염, 루시페린(luciferin), 루시퍼라제 (luciferase), 아쿠오린(aequorin) 등의 발광물질 또는 125I, 127I, 131I, 14C, 3H, 32p, 35S 등의 방사선 물질 뿐만 아니라 면역학적 측정법에 사용될 수 있으면 특히 한정하지 않는다. 또한 항체에 바이오틴, 디니트로페닐, 피리독실 또는 플루오레자민과 같은 저분가 헵텐을 사용할 수 있다.
- 또한, 단계 4에서 발색효소를 사용할 경우 이의 활성을 측정하기 위하여, 발색기질을 사용하며, 발색기질은 2차 항체에 결합된 발색효소에 대하여 발색할 수 있는 모든 물질을 사용할 수 있고, 4CN(4-chloro-1-naphtol), DAB(Diaminobenzidine),
  AEC(Aminoethyl carbazole), ABTS[2, 2'-Azino-bis (3-ethylbenzothiazoline-6-sulfonic acid)], OPD(o-Phenylenediamine) 및 TMB(Tetramethyl Benzidine)등을 사용할 수 있다.

.0021488

- 생기 단계 2의 피검시료는 βig-h3와 관련된 질환을 앓는 환자이고, 모든 종류의 체액이 피검재료가 될 수 있고, 신장 질환, 간 질환 또는 류마티스 환자의 소변, 혈액 또는 활막액인 것이 바람직하다.
- 본 발명에서는 상기 β ig-h3 단백질의 정량방법이 정확하게 β ig-h3 단백질을 정량하는지 확인하기 위하여, 마우스 β ig-h3 또는 β ig-h3의 4번째 파스-1 도메인을 하나이상 포함하는 재조합 단백질을 표준단백질로 사용하여 측정하였고, 이를 인간 β ig-h3를 표준단백질로 사용한 경우와 비교하였다.
- \*\* 본 발명의 βig-h3의 정량방법에 있어서 인간 βig-h3 단백질의 최적 코팅농도 및항체의 정량적 비율을 결정한 결과, 일차 항 인간 βig-h3 항체의 정량적 비율은 1:1600과 1:2000일때 그래프가 직선을 이루게 되므로 상기 비율이 가장 적당함을 확인하였고(도 7 참조), 이차항체의 정량적 비율은 1:2000의 비율일때 그래프가 직선을 이루게 되므로 상기 비율이 가장 적당한 비율임을 확인하였으며(도 8 참조), 인간 βig-h3 단백질은 1.0 μg/ml과 0.5 μg/ml 두 가지 경우 모두 그래프가 직선을 나타내어 정량적 범위로 적당하였지만 1.0 μg/ml보다 0.5 μg/ml이 피어슨의 곱 모멘트 상관 계수(R²)값이 1에 가까운 형태로 나타나서 코팅 농도는 0.5 μg/ml일때 가장 적당함을 확인하였다(도 9 참조).
- 84> 상기 결과로부터, 본 발명자들은 인간 βig-h3 표준단백질의 코팅 농도를 0.5 μg/ml로 하고 일차 항 인간 βig-h3 항체 및 이차항체의 희석 비율은 각각 1:2000으로 하는 것이 최적의 조건임을 확인하였다.

0021488

- 본 발명자들은 인간 βig-h3의 경우와 동일한 방법으로 마우스 βig-h3, 재조합 βig-h3 D-IV(1x), ig-h3 D-IV(2x), ig-h3 D-IV(3x) 및 βig-h3 D-IV(4x)를 사용하여 단백질의 농도, 일차항체 및 이차항체의 정량적 비율을 결정하였다. 구체적으로, 각 단백질의 코팅 농도를 0.5 μg/ml로 하고, 일차 항 인간 βig-h3 항체 및 이차항체는 1:2000으로 하여 정량적 실험을 하였으며, 또한 일차 항 마우스 βig-h3 항체 및 이차항체는 1:2000으로 하여 정량적 실험을 하였다.
- 여 그 결과, 모든 경우에 있어서 그래프가 직선을 형성하였고, 측정범위 역시 11 ng/ml에서 900 ng/ml로 서로 비슷함을 확인하였다(도 11 및 도 12 참조).
- 87> 상기의 결과로부터, 표준단백질은 인간 βig-h3, 마우스 βig-h3, 재조합 βig-h3
  D-IV(1x), ig-h3 D-IV(2x), ig-h3 D-IV(3x) 및 βig-h3 D-IV(4x) 중 어느 것을 사용해도
  무방하며, 일차항체의 경우도 교차작용이 있으므로 항 인간 βig-h3 항체나 항 마우스 .
  βig-h3 항체 중 어느 것을 사용해도 됨을 확인하였다.
- 본 발명에 있어서 표준단백질의 코팅농도는 0.1 내지 2.0 μg/ml의 범위인 것이 바람직하며 0.5 내지 1.0 μg/ml인 것이 더욱 바람직하다. 또한, 일차항체 및 이차항체의 비율은 1:400 내지 1:3200인 것이 바람직하며, 1:2000인 것이 더욱 바람직하다.
- 본 발명은 신장 질환, 간 질환 또는 류마티스 질환을 앓고 있는 검체의 체액에서 βig-h3 단백질 양의 측정을 통한 여러 질환의 진단킷트를 제공한다.

<92>

출력 일자: 2002/11/12

<90> 본 발명의 진단킷트에는 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질과 βig-h3 단백질 또는 βig-h3의 파스-1 도메인에 대한 항체를 포함한다. 또한, 상기에 추가적으로 완충용액, 2차 항체, 세척액, 반응정지액 또는 발색기질을 포함할 수 있다.

91> 본 발명의 진단킷트는 신장 질환, 간 질환 및 류마티스 질환을 비롯한 모든 체액에 서 βig-h3 단백질의 측정을 통하여 여러가지 질환을 진단할 수 있다.

신장 질환의 병리기전에 중요한 역할을 하는 TGF-용에 의해 용ig-h3의 발현이 강력하게 유도된다는 점에 착안하여 신장 질환과 용ig-h3 발현과의 상관관계를 원리로 하여 용ig-h3를 정량하여 신장 질환을 진단한다. 이를 확인하기 위하여 신장 질환을 일으키는 대표적인 질환인 당뇨병 환자를 상대로 소변에서의 용ig-h3를 측정하여 보면, 마이크로알부미누리아(microalbuminuria)를 포함하는 당뇨병성 신장 질환자의 소변 용ig-h3의 농도는 정상인에 비해 5배 이상의 높은 수치를 보였으며 임상적으로 당뇨병성 신장 질환을 가진 환자에서도 용ig-h3의 농도가 증가하였다. 당뇨병성 신장 질환을 가진 환자의 소변 용ig-h3는 대부분의 환자에서 정상보다 높은 수치를 보였으며 임상적으로 당 변경으로 임상적으로 보였으며 임상적으로 보였으며 임상적으로 보였으며 임상적으로 보였으며 임상적으로 보였으며 임상적으로 보였으며 임상적으로 신장질환이 없는 환자의 일부분도 높은 수치를 나타내었다. 상기의 결과로 볼 때 소변 용ig-h3는 신장의 손상정도를 잘 반영한다고 할 수 있으며 특히 임상적으로 신장 질환을 나타내지 않는 당뇨병 환자의 일부에서도 높은 수치를 보이는 것은 이들 환자가 임상적으로 드러나는 뚜렷한 신장기능 장애는 없지만 어느 정도 신장의 손상을 입고 있다는 것을 의미한다. 따라서, 소변의 용ig-h3 측정은 신장의 손상을 조기에 반영하는 감

도가 높은 진단적 의의를 가지며, 기존의 신장기능을 반영하는 어떤 검사보다도 조기에 신장의 손상을 반영할 수 있음을 확인하였다.

- 또한, 소변에서의 β ig-h3 농도가 당뇨병 환자의 신장 손상을 조기에 반영하는지를 확인하기 위하여, 당뇨병 유발 동물 모델에서 β ig-h3 농도를 측정하여 보면, 당뇨병 유발 전보다 5일이 결과한 후에 β ig-h3 농도가 약 4배 정도 증가하였다(도 13 참조). 당뇨병이 유발된 후 각 개체에서의 β ig-h3 농도 변화를 살펴보면 모든 개체가 당뇨병 유발 후에 소변 β ig-h3 농도가 현저하게 증가함을 알 수 있었다(도 14 참조). 당뇨병 유발 5일에는 혈증 요소(urea)와 크레아틴 수치는 정상이며 신장의 조직소견도 뚜렷한 이상을 나타내지 않는다. 따라서, 5일째 소변에서 β ig-h3 수치가 현저하게 증가한다는 것은 기존의 검사법으로는 찾아낼 수 없는 신장의 미세한 손상을 조기에 반영할 수 있다는 것을 시사한다.
- 또한, 본 발명에서는 신장이식 수술 전과 후의 환자의 소변으로부터 βig-h3의 농도를 측정하여 신장손상과 βig-h3 농도와의 상관관계를 확인하고자 하여 보면, 신장이식 수술 전 높은 수치의 βig-h3 농도가 수술이 성공적으로 된 환자의 경우에 있어서 서서히 떨어지는 것을 보였고, 수술 후에 신장 기능이 회복되지 않은 5번 환자의 경우에는 계속 높은 수치를 유지하였다(표 2 참조). 상기 결과로부터 본 발명의 βig-h3의 농도가 신장의 손상을 예민하게 반영함을 알 수 있다.
- 또한, 본 발명에서는 신부전증 환자의 소변을 채취하여 βig-h3의 농도를 측정한 결과, 모든 환자에서 정상보다 현저히 높은 βig-h3 농도 수치를 보임을 확인하여 보면, 소변에서의 βig-h3 농도는 신장의 손상을 조기에 예민하게 반영하며 신장의 손상을 주는 여러 경우에서 진단적으로 대단히 중요한 의미를 가짐을 확인하였다(표 3 참조).

0021488

만성간염환자가 간경화로 진행하고 있는가를 판정하는 것은 임상적으로 대단히 중 <96> 요하지만 현재까지는 그러한 진단법이 없는 실정이다. 간경화의 진행에 가장 중요한 인 자는  $TGF-\beta$ 이므로  $TGF-\beta$ 에 의해 발현이 유도되는  $\beta$  ig-h3가 간경화가 진행됨에 따라. 혈중에서 그 농도가 증가할 가능성이 있으며 이는 간경화의 진행정도를 반영할 수 있다. 실제로 간염환자의 간조직의 면역조직검사에서 eta ig-h3가 간경화의 정도가 심할수록 많 이 발현됨을 확인하였다. 이에, 본 발명에서는 만성간염환자를 조직검사 결과를 기준으 로 등급(grade)과 단계(stage)로 나누어 혈중 βig-h3 농도와의 상관관계를 확인하여 보 면, 만성간염환자는 정상보다-혈중  $oldsymbol{eta}$  ig-h3 농도가 높음을 확인하였으며, 낮은 등급과 단계에서의 βig-h3 농도가 높은 등급과 단계에서의 βig-h3 농도보다 높은 것을 확인하 였다(표 5 참조). 등급 3과 단계 3은 간경화로 상당히 진행된 상태로서 이미 간경화의 활동성이 정점을 지난 상태라고 할 수 있으며, 반면에 단계 1과 2 및 등급 1과 2는 현 재 염증반응이 활발히 진행하고 있는 활동성 상태라고 할 수 있다. 따라서, 혈증  $\beta$ ig-h3의 농도는 간경화의 활동성 상태를 반영하며, 동일한 환자에서 정기적으로 혈중 etaig-h3 농도를 측정함으로써 환자의 간경화로의 진행 상황을 관찰할 수 있음을 알 수 있 다.

또한, 퇴행성 관절염(osteoarthritis)과 류마티스성 관절염(rheumatoid arthritis)
환자의 활막액에서 βig-h3의 농도를 측정하여 보면, 류마티스성 관절염 환자의 활막액에서 약 2 배 정도의 높은 βig-h3 농도를 나타내었으며, 상기 결과로부터 활막액에서의

출력 일자: 2002/11/12

βig-h3 농도가 퇴행성 관절염과 류마티스성 관절염의 진단에 유용하게 사용될 수 있음을 확인하였다(표 6 참조).

- 98> 따라서, 본 발명의 β ig-h3 단백질을 정량하는 진단킷트는 신장 질환, 간 질환 및 류마티스 질환을 조기에 예민하게 진단할 수 있고, 상기 질환의 진단, 손상 정동 및 진행 정도를 반영하기 때문에 효과적인 검사 방법으로 유용하게 사용될 수 있다.
- <99> 이하, 본 발명을 실시예에 의해 상세히 설명한다.
- <100> 단, 하기 실시예는 본 발명을 예시하는 것일 뿐, 본 발명의 내용이 하기 실시예에 · 한정되는 것은 아니다.
- <101> <실시예 1> 표준단백질 및 1차 항체의 제조
- <102> <1-1> 인간 βig-h3 및 마우스 βig-h3의 분리
- 본 발명자들은 인간과 마우스의 βig-h3 단백질을 제조하였다. 각 단백질 구성 요소의 개략도를 도 1에 나타내었으며, 도 1에서 해칭된 칸과 크로스 해칭된 칸은 반복 되는 도메인인 I, II, III, IV의 매우 보존된 서열을 나타내며, RGD 모티브는 빈칸으로 나타내었다.
- <104> 본 발명자들은 pBluescript SK(-) 벡터에 클로닝된 서열번호 2로 기재되는 염기서열을 가지는 β ig-h3 cDNA(pBS β ig-h3)(인간 피부의 유두종 세포 cDNA로부터 클로닝하여 얻음)를

Nde I과 BgI II 제한효소로 절단하여 블런트 말단(blunt end)을 가지는 DNA 단편을 제조하였고, 상기 단편을 pET-29 $\beta$  벡터(Novagen사에서 구입)의 EcoR V와 EcoR I 부위에 서브 클로닝하였다.  $\beta$  ig-h3의 69 아미노산에서 653 아미노산에 해당하는 서열번호 3으로 기 재되는 아미노산 서열을 가지는 단백질을 분리하였고 이를 인간  $\beta$  ig-h3라 명명하였다.

다음으로 본 발명자들은 β ig-h3 cDNA에 BamH I과 Xho I부위를 만들어 상기와 동일한 방법으로 PCR(polymerase chain reaction)을 수행하여 23 아미노산에서 641 아미노산에 해당하는 염기서열을 갖는 서열번호 4로 기재되는 DNA 단편을 제조하였고, 상기 단편을 pET-29 β 벡터의 BamH I과 Xho I 부위에 삽입하여 발현시킨 서열번호 5로 기재되는 아미노산 서열을 가지는 단백질을 분리하였으며, 이를 마우스 β ig-h3라 명명하였다.

본 발명자들은 상기 인간 βig-h3 단백질 및 마우스 βig-h3 단백질을 발현시키기 위하여, E.coli BL21(DE3)을 숙주로 사용하여 형질전환시켰고, 형질전환 균주들을 595 nm 에서의 광학농도(OD)가 0.5 내지 0.6이 될 때까지 37℃, 50 μg/ml의 카나마이신 (kanamicine)을 포함한 LB 배지에서 배양하였다. 배양과정에서 1 mM IPTG(isopropyl-β-D-(-)thiogalactopyranoside)로 37℃에서 3시간 동안 βig-h3 단백질을 유도하여 발현시켰다.

<107> β ig-h3를 발현시킨 후 대장균 침전물(pellet)을 50 mM 트리스염산(Tris-HCl, pH 8.0), 100 mM 염화나트륨, 1 mM EDTA, 1% 트리톤(Triton) X-100, 1 mM 페닐메탄-설포닐

0021488

플루오라이드(phenylmethane sulfonyl fluoride, 이하 "PMSF"라 함) 및 0.5 mM DTT로 구성된 세포 용해 완충용액(cell lysis buffer)에 다시 현탁시킨 후 초음파처리를 하여 세포를 파쇄하였으며, 이 과정을 5 회 반복하였다.

- 생기의 용액을 원심분리하여 β ig-h3이 포함된 불용성 함유체(inclusion bodies)
  를 0.5 M 염화나트륨, 5 mM 이미다졸(imidazol) 및 8 M 요소(urea)를 포함하는 20 mM 트
  리스염산(Tris-HCl) 완충용액에 용해시킨 후, Ni-NTA 레진(Qiagen)을 사용하여 단백질을
  정제하였다. 50 mM 염화나트륨을 포함하는 20 mM 트리스 염산 완충용액에서 고농도부
  터 저농도까지의 요소(urea)로 단백질을 차례대로 투석하여 정제하였고 SDS-PAGE로 확인하였다.
- <109> 그 결과, 본 발명의 인간 β ig-h3 및 마우스 β ig-h3 단백질이 분리됨을 확인하였다(도 2).
- <110> <1-2> βig-h3 D-IV(1x) 및 βig-h3 D-IV(4x)의 제조 및 분리
- <111> 본 발명자들은 서열번호 1로 기재되는 인간 βig-h3의 498부터 637까지의 제 4 도메인을 코딩하는 서열번호 6로 기재되는 DNA 단편을 PCR을 수행하여 증폭한 후 pET-29β 벡터에 클로닝한 제 4 도메인의 발현 벡터를 제조하였고, 이를 "βig-h3 D-IV"라 명명하였다.
- <112 다음으로, 제 4 도메인에 해당하는 염기서열을 PCR로 합성하여 클레나우(Klenow)</p>
  단편으로 3' 말단 부분을 평활화시킨 후, 상기에서 제조한 네 번째 도메인을 포함하는

0021488

발현벡터 pβig-h3 D-IV의 EcoR V 부위에 삽입하였고 이를 pβig-h3 D-IV(2x)라 명명하였다. pβig-h3 D-IV(2x)의 삽입절편을 EcoR V와 Xho I으로 잘라낸 후, 상기와 동일한 방법으로 Klenow 단편으로 3' 말단 부분을 평활화시킨 후, pβig-h3 D-IV 및 pβig-h3 D-IV(2x)의 EcoR V 부위로 각각 삽입하였고, 이를 pβig-h3 D-IV(3x) 및 pβig-h3 D-IV(4x)로 명명하였다(도 3). Ni-NTA 레진(Qiagen)을 사용하여 발현되는 단백질을 정제하기 위하여 상기 DNA 단편의 카르복식 말단에 6 개의 히스티딘(histidine) 잔기를 연결시켜 His-표지(His-tag)를 만들었다.

- 상기 발현 벡터를 대장균 BS21(DE3)에 형질전환시킨 후 대장균 형질전환체를 50 μg/ml 농도의 카나마이신(kanamycin)이 첨가된 배지에서 배양하였다. 상기 대장균 형질 전환체를 1 mM Tris-HCL(pH 8.0), 100 mM EDTA, 1% Triton X-100, 1 mM PMSF 및 0.5 mM DTT를 포함하는 세포용해 완충용액에 현탁시킨 후 초음파처리를 하여 세포를 파쇄하였다. 상기 과정을 5회 반복한 후 원심분리로 상동액을 분리하였고 이 상동액을 Ni-NTA 레진이 충진된 컬럼을 사용하여 정제한 후 SDS-PAGE를 사용하여 확인하였다.
- -(114> 그 결과, 본 발명의 제 4 도메인을 포함하는 각각 서열번호 7 내지 서열번호 10으로 기재되는 아미노산 서열을 가지는 β ig-h3 D-IV(1x), β ig-h3 D-IV(2x), β ig-h3 D-IV(3x) 및 β ig-h3 D-IV(4x) 단백질이 발현됨을 확인하였다(도 4).

# <115 <1-3> 일차 항체의 제조 및 분리

<116 상기 실시예 <1-1>에서 분리한 인간 β ig-h3 및 마우스 β ig-h3 단백질을 항원으로 사용하여 토끼의 등에 피하주사하여 항체를 제조하였다. 처음 주사는 200 μg의 단백

질을 완전 프레운드 면역증강제(complete Freund's adjuvant)와 혼합하여 주사하였고 그 다음의 4번에 걸친 주사는 100 μg의 단백질을 불완전 프레운드 면역증강제 (incomplete Freund's adjuvant)와 혼합하여 3주 간격으로 주사하였다. 혈청은 채혈 후 실온에서 2시간 정도 방치한 후 10,000 汝에서 10분간 원심분리하여 일차항체를 포함하는 상등액을 취하였고, -20℃ 냉동고에 보관하여 사용하였다(도 5).

<117> <실시예 2> 인간 βig-h3 단백질의 코팅농도 및 항체의 정량적 비율 결정
<118> <2-1> 1차 항체의 정량적 비율 결정

인간 β ig-h3 단백질에 대한 일차항체의 정량적 비율을 구하기 위하여 인간 β ig-h3를 0.5 μg/ml의 코팅완충용액(20 mM carbonate-bicarbonate 용액, pH 9.6, 0.02% sodium azide)에 희석한 후, 96-웰 플레이트에 200 μl씩 넣고, 4℃에서 밤새 코팅하였다. 코팅된 플레이트에 일차 항 인간 β ig-h3 항체의 농도를 1:200, 1:400, 1:800, 1:1600, 1:2000 및 1:3200으로 희석완충용액(살린-인산 완충용액/트윈 80)에 희석한 후, 1:5000으로 고정시킨 이차항체를 첨가하여 상은에서 1시간 반 동안 반응시켰다. 반응 후 기질용액(o-페닐렌디아민을 메탄을에 10 mg/ml로 녹여 증류수에 1:100으로 희석하고 30% 과산화수소 10 μl를 첨가하여 혼합)을 첨가하고, 상은에서 1시간 단 동안 반응시켰다. 50 μl의 8 N 황산용액으로 반응을 중지시키고 바로 ELISA 분석 (0.D 492 mm)을 실시하였다.

<120> 그 결과, 일차 항 인간 β ig-h3 항체의 정량적 비율은 1:1600과 1:2000일 때 그래
프가 직선을 이루게 되므로 상기 비율이 가장 적당함을 확인하였다(도 7).

## <121> <2-2> 2차 항체의 정량적 비율 결정

- 이차항체의 정량적 비율을 구하기 위하여 인간 βig-h3 단백질을 0.5 μg/μl상도로로 코팅하고, 일차 항 인간 βig-h3 항체를 1:1600과 1:2000으로 희석하여 고정시킨 후이차항체의 농도를 각각 1:1000, 1:2000 및 1:3000으로 희석하여 ELISA 분석을 실시하였다.
- <123> 그 결과, 1:2000의 비율일 때 그래프가 직선을 이루게 되므로 상기 비율이 가장적당한 비율임을 확인하였다(도 8).

# <124> <2-3> 인간 βig-h3 단백질의 코팅 농도 결정

- 본 발명자들은 인간 β ig-h3 단백질의 코팅 농도를 결정하기 위하여 일차 항 인 간 β ig-h3 항체를 1:2000, 이차항체를 1:2000으로 희석하였고, 인간 β ig-h3 단백질의, 코팅 농도를 0.5 μg/ml 및 1.0 μg/ml로 하여 ELISA 분석을 실시하였다.
- <126> 그 결과 1.0 μg/ml과 0.5 μg/ml 두 가지 경우 모두 그래프가 직선을 나타내어 정량적 범위로 적당하였지만 1.0 μg/ml보다 0.5 μg/ml이 피어슨의 곱 모멘트 상관계수(R<sup>2</sup>)값이 1에 가까운 형태로 나타나서, 코팅 농도는 0.5 μg/ml일 때 가장 적당함을 확인하였다(도 9).
- <127> 상기 결과로부터, 본 발명자들은 인간 βig-h3 표준단백질의 코팅 농도를 0.5 μg /μℓ로 하고 일차 항 인간 βig-h3 항체 및 이차항체의 희석 비율은 각각 1:2000으로 하 여 정량적 실험을 수행하였다.

0021488

- <128> 상기 결과를 바탕으로 하기 수학식 1로 표시되는 로바드(Robard, 1971)의 공식에 의해 로그 변환(log transformation)시킨 결과, 11 ng/ml에서 900 ng/ml까지 직선을 형 성하여 상기 범위가 측정가능범위임을 확인하였고, 상기 반응 조건이 10 ng/ml까지 측 정할 수 있는 감도를 가지고 있음을 확인하였다(도 10).
- <129> 【수학식 1】 log b= log e b/(100-b)
- <130> 상기에서 b는 항원이 들어 있지 않는 웰의 흡광도에 대한 각 농도에서의 퍼센트 값을 나타낸다.
- <131> <실시예 3> 교차실험을 통한 마우스 β ig-h3, 재조합 β ig-h3 D-IV(1x) 및 β ig-h3
  D-IV(4x) 단백질의 정량적 범위측정
- 상기 실시예 2와 동일한 방법으로 마우스 β ig-h3, 재조합 β ig-h3 D-IV(1x) 및
  β ig-h3 D-IV(4x)를 사용하여 단백질의 농도, 일차항체 및 이차항체의 정량적 비율을 결정하였다. 구체적으로, 각 단백질의 코팅 농도를 0.5 μg/ml로 하고, 일차 항 인간 β
  ig-h3 항체 및 이차항체는 1:2000으로 하여 정량적 실험을 하였으며, 또한 일차 항 마우스 β ig-h3 항체 및 이차항체는 1:2000으로 하여 정량적 실험을 하였다.
- <133> 그 결과, 모든 경우에 있어서 그래프가 직선을 형성하였고, 측정범위 역시 11
  ng/ml에서 900 ng/ml로 서로 비슷함을 확인하였다(도 11 및 도 12).

출력 일자: 2002/11/12

<134> 상기의 결과로부터, 표준단백질은 인간 βig-h3, 마우스 βig-h3, 재조합 βig-h3
D-IV(1x) 및 βig-h3 D-IV(4x) 중 어느 것을 사용해도 무방하며, 일차항체의 경우도 교 차작용이 있으므로 항 인간 βig-h3 항체나 항 마우스 βig-h3 항체 중 어느 것을 사용
해도 됨을 확인하였다.

<135> <실시예 4> 신장 질환과 β ig-h3 발현과의 상관관계 <136> <4-1> 당뇨병 환자에서의 β ig-h3 측정

본 발명자들은 신장 질환의 병리기전에 중요한 역학을 하는 TGF-β에 의해 β
 ig-h3의 발현이 강력하게 유도된다는 점에 착안하여 신장 질환과 βig-h3 발현과의 상관관계를 확인하고자 하였다. 이를 위하여 본 발명자들은 먼저 신장 질환을 일으키는 대표적인 질환인 당뇨병 환자를 상대로 소변에서의 βig-h3를 측정하였다. 구체적으로 당뇨병 환자의 소변 110 μ2와 일차항체(1:1000) 110 μ2를 둥근 플레이트에 첨가하여 37℃에서 1시간 반 동안 배양한 후, 그 중 200 μ2를 다시 βig-h3로 미리 코팅된 플레이트에 첨가하여 상온에서 30분 동안 반응시킨다. 반응 후, 이차항체-기질 반응중지액으로 반응을 중지시켜 ELISA 분석(0.D 492 nm)을 수행하였다.

# <138> 【丑 1】

신장 질환 환자의 소변 βig-h3 농도					
대창군	β ig-h3(ng/mℓ)				
정상	31.0 (n=93, ±8.6)				
Type II DM	101.9 (n=51, 均7.1)				
Type II DM + microalbuminuria	127.4 (n=30, ±27.7)				
Type II DM + overt proteinuria	105.4 (n=19, 丸4.9)				
Type II DM + CRF	153.6 (n=93, ±28.1)				

0021488

기계 기계 기계 기계 기계 기계 기계 기계 기존의 신장의 손상을 입고 있다는 것을 의미한다. 따라서, 소변의 용ig-h3 측정은 신장의 손상을 반영한다고 한다. 이번 전상적으로 시장을 하는 것을 의미한다. 따라서, 소변의 용ig-h3 측정은 신장의 손상을 간지 한다. 다른 기계 반영하는 감도가 높은 진단적 의의를 가지며, 기존의 신장기능을 반영하는 어떤 검사보다도 조기에 신장의 손상을 반영할 수 있음을 확인하였다.

# <14Φ <4-2> 당뇨병 유발 동물 모델에서의 βig-h3 측정

- <141> 본 발명자들은 소변에서의 βig-h3 농도가 당뇨병 환자의 신장 손상을 조기에 반영 하는지를 확인하기 위하여, 당뇨병 유발 동물 모델에서 βig-h3 농도를 측정하였다.
- SD 래트(Sprague-Dawley rat)에 당뇨병 유발 약물인 스트렙토조토신 (streptozotosin)을 60 mg/kg 농도로 복강 내에 주사하여 당뇨병을 유발하였고, 혈당을 측정하여 당뇨병이 유발된 것을 확인하였으며, 5일째의 소변을 24시간 동안 채취하여 상기 실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 βig-h3 농도를 측정하였다.

출력 일자: 2002/11/12

지원 그 결과, 당뇨병 유발 전의 β ig-h3 농도는 56.9 ★6.4 ng/크레아틴 mg 이었으나 당뇨병 유발 후 5일째의 평균치는 230.4 ᡮ31.8 ng/크레아틴 mg 으로써 β ig-h3 농도가 약 4배 정도 증가하였다(도 13). 당뇨병이 유발된 후 각 개체에서의 β ig-h3 농도 변화를 살펴보면 모든 개체가 당뇨병 유발 후에 소변 β ig-h3 농도가 현저하게 증가함을 알 수 있었다(도 14). 당뇨병 유발 5일에는 혈증 요소(urea)와 크레아틴 수치는 정상이며 신장의 조직소견도 뚜렷한 이상을 나타내지 않는다. 따라서, 5일째 소변에서 β ig-h3 수 치가 현저하게 증가한다는 것은 기존의 검사법으로는 찾아낼 수 없는 신장의 미세한 손상을 조기에 반영할 수 있다는 것을 시사한다.

<144> <4-3> 신장이식(kidney transplantation) 수술환자에서의 βig-h3 측정

<145> 본 발명자들은 신장이식 수술 전과 후의 환자의 소변으로부터 β ig-h3의 농도를 측정하여 신장손상과 β ig-h3 농도와의 상관관계를 확인하고자 하였다. 이를 위하여 상기실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 신장이식 수술 전과 후의 환자에서 β ig-h3 농도를 측정하였고, 그 결과를 표 2에 나타내었다.

#### <146> 【班 2】

신장이	식 전후	의 βi	g-h3 -	농도 변	화									ᇫᇫᆁ
일 환자	<del>-6</del>	-5	-4		-2	-1	0	1	2	3	4	5 	b 	수술성 공
1	<b></b>			376.9	199.2	105.6	59.1	67.6	84.5	63.1	61.2	39.7	9.9	0
2		149.2	147.3	133.5	159.5	148.3	147.3	96.0	74.0	40.7	20.3	27.9	26.4	0
3	107.8	95.8	101.4	102.3	102.2	106.1	106.6	125.5	83.5	49.4	36.5	33.3	23.2	0
4	├			<del>                                     </del>	<del></del>	<del> </del>	298.8	208.1	140.5	169.9	188.4	76.3	24.4	0
5							188.6	160.7	469.3	290.9	494.7	324.4	E	X



그 결과, 신장이식 수술 전 높은 수치의 βig-h3 농도가 수술이 성공적으로된 환자의 경우에 있어서 서서히 떨어지는 것을 보였고, 수술 후에 신장 기능이 회복되지 않은
 5번 환자의 경우에는 계속 높은 수치를 유지하였다. 상기 결과로부터 본 발명의 βig-h3의 농도가 신장의 손상을 예민하게 반영함을 알 수 있다.

## <148> <4-4> 신부전증 환자에서의 βig-h3 측정

본 발명자들은 신부전증 환자의 소변을 채취하여 상기 실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 βig-h3의 농도를 측정한 결과, 모든 환자에서 정상보다 현저히 높은 βig-h3 농도 수치를 보임을 확인하였다(표 3).

#### <150> 【丑 3】

신부전증환자의 소변 βig-h3 농도	
대상군	βig-h3 (ng/mg)
정상	31.0 (n=93, ±8.6)
만성신부전증	335.4 (n=9, ±56.0)

#### <151> <4-5> 신장질환 관련 환자에서의 βig-h3 측정

본 발명자들은 β ig-h3가 신장과 관련된 질환을 앓는 환자에서 정상과 다르게 발현되는지 알아보기 위하여, 신장이식 후 정상인 경우, 이식 받은 신장의 크기가 작은 경우, 만성 거부, 신우염의 재발 및 사이클로스포린 독성이 나타난 경우로 분류하여 상



기 환자의 소변으로부터 βig-h3의 농도를 상기 실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 측정하였다.

지하는 그 결과, 신장 이식 후 정상적인 신장 기능을 보이는 환자의 평균치는 39.4 ng/크레아틴 mg 인 반면 만성거부, 신우염의 재발 및 사이클로스포린 독성이 있는 환자에서는 β ig-h3의 농도가 현저히 증가하여 각각 140.8, 175.4 및 90.9 ng/크레아틴 mg을 나타내었다(도 15, 표 4).

## <154> 【丑 4】

βig-h	3   신장이식 후   정상 (n=47)	이식받은 신장크기 작은 경우(n=16)	만성거부 (n=15)	신우염 재발 (n=6)	사이클로스포린 독성(n=6)
평균	39.4 18.2	54.7±23.0	140.8 = \$1.1	175.4±65.8	90.9±22.4
최저	9.4	17.9	48.8	83.2	64.6
최대	84.7	100.0	374.4	249.8	119.4

또한, 본 발명자들은 신장이식후 재발에 의해 βig-h3 농도가 중가한 것이 치료에 반응함에 따라 다시 감소하는 가를 알아보았다. 신장 이식 후 신우염(국소분절사구체경화증)이 재발하여 혈장교환술을 받은 환자의 소변 βig-h3 농도는 점차 감소되는 것으로 나타났는데, 이는 치료에 반응함에따라 소변의 βig-h3의 농도가 감소하는 것을 알 수 있는 것으로 치료반응의 지표로서 가능성을 나타내는 것이다(도 16).

<156> <4-6> 신장이식 후 βig-h3 농도에 미치는 영향 분석



<157> 본 발명자들은 신장이식 수술 후에 소변 β ig-h3의 농도가 어떻게 변하는지 알아보기 위하여, 신장수술 직후 매일 소변에서 β ig-h3의 농도를 측정하였다.

□ 결과, 살아있는 사람의 신장이나 뇌사한 사람의 신장을 이식 받아 성공적으로 이식이 된 경우 소변 β ig-h3의 농도가 수술 후 서서히 감소하여 살아있는 사람의 신장을 이식 받은 경우는 4에서 5일 사이에 정상값으로 돌아오며 뇌사한 사람의 신장이식인 경우 6에서 7일 사이에 정상값이 되었다(도 17).

또한, 이식한 신장의 크기가 작아서 이식된 신장은 정상이지만 신기능이 충분하지 않은 경우는 혈중 크레아틴 값은 여전히 높은 반면 소변 βig-h3의 농도는 정상으로 돌 아왔다. 이는 이식된 신장이 작아서 환자의 노폐물을 충분히 다 걸러내지는 못하지만 신장 자체는 정상임을 의미하고 따라서 신장의 손상을 반영하는 βig-h3의 농도는 정상 으로 돌아왔다는 것을 의미한다(도 17). 반면 신장이식이 실패한 경우 소변 βig-h3 농 도의 변동이 심하게 나타나는 경향을 보여주었다.

이상의 결과들로 볼 때 소변 βig-h3 농도의 측정은 신장의 손상정도를 잘 반영하여 신장 질환 이상의 조기 진단과 신장질환의 진행과 치료 효과 판정의 좋은 지표로서 사용될 수 있다.

V19의 결과로부터, 소변에서의 βig-h3 농도는 신장의 손상을 조기에 예민하게 반영하며 신장의 손상을 주는 여러 경우에서 진단적으로 대단히 중요한 의미를 가짐을 확인하였다.



<162> <실시예 5> 간 질환과 βig-h3 발현과의 상관관계

인자는 TGF-β이므로 TGF-β에 의해 발현이 유도되는 βig-h3가 간경화의 진행에 가장 중요한 인자는 TGF-β이므로 TGF-β에 의해 발현이 유도되는 βig-h3가 간경화가 진행됨에 따라 혈중에서 그 농도가 증가할 가능성이 있으며 이는 간경화의 진행정도를 반영할 수 있다. 실제로 간염환자의 간조직의 면역조직검사에서 βig-h3가 간경화의 정도가 심할수록 많이 발현된다고 알려져 있다. 이에, 본 발명자들은 만성간염환자를 조직검사 결과를 기준으로 등급(grade)과 단계(stage)로 나누어 혈중 βig-h3 농도와의 상관관계를 확인하였다.

만성간염환자의 혈액을 채혈하여 상기 실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 βig-h3의
 농도를 측정하였으며, 그 결과를 하기 표 5에 나타내었다.

#### <165> 【丑 5】

만성간염환자의 혈중 βig-h3 농도

등급	Big-h3 (ng/mg)	단계	βig-h3 (ng/mg)
0(정상)	146.2 (n=172, ±28.5)	0(정상)	146.2 (n=172, ±28.5)
1	196.6 (n=16, ±30.6)	1	193.4 (n=20, ±30.2)
2	190.0 (n=43, ±72.8)	2	192.2 (n=36, 均9.1)
3	167.5 (n=7, ±21.9)	3	172.5 (n=10, ±21.9)

<166 그 결과, 만성간염환자는 정상보다 혈증 β ig-h3 농도가 높음을 확인하였으며, 낮은 등급과 단계(1 및 2)에서의 β ig-h3 농도가 높은 등급과 단계(3)에서의 β ig-h3 농도보다 높은 것을 확인하였다. 등급 3과 단계 3은 간경화로 상당히 진행된 상태로서 이미</p>



간경화의 활동성이 정점을 지난 상태라고 할 수 있으며, 반면에 단계 1과 2 및 등급 1과 2는 현재 염증반응이 활발히 진행하고 있는 활동성 상태라고 할 수 있다. 따라서, 혈증 β ig-h3의 농도는 간경화의 활동성 상태를 반영하며, 동일한 환자에서 정기적으로 혈증 β ig-h3 농도를 측정함으로써 환자의 간경화로의 진행 상황을 관찰할 수 있음을 알수 있다.

<167> <실시예 6> 류마티스 관절염 환자와 βig-h3 발현과의 상관관계

본 발명자들은 퇴행성 관절염(osteoarthritis)과 류마티스성 관절염(rheumatoid arthritis) 환자의 활막액에서 상기 실시예 <4-1>과 동일한 방법으로 βig-h3의 농도를 측정하였다(표 6).

#### <169> 【丑 6】

활막액에서의 βig-h3 농도	
	βig-h3 (ng/mg)
퇴행성관절염	11.0 (n=29, ±0.3)
류마티스성관절염	21.0 (n=20, ±2.5)

<170> 그 결과, 류마티스성 관절염 환자의 활막액에서 약 2 배 정도의 높은 βig-h3 농도를 나타내었으며, 상기 결과로부터 활막액에서의 βig-h3 농도가 퇴행성 관절염과 류마티스성 관절염의 진단에 유용하게 사용될 수 있음을 확인하였다.



출력 일자: 2002/11/12

#### 【발명의 효과】

상기에서 살펴본 바와 같이, 본 발명의 βig-h3 측정법은 인간 βig-h3, 마우스
βig-h3, βig-h3 D-IV(1x) 또는 βig-h3 D-IV(4x)를 표준단백질로 사용하므로 비용이
저렴하고 다양한 체액에서 βig-h3의 농도를 정확하게 진단할 수 있으며, 검체에서의 β
ig-h3 농도는 TGF-β와 관련되는 의학적 증상들인 여러 가지 신장 질환, 간질환 및 류마
티스 질환을 조기에 예민하게 반영하므로 상기 질환의 진단, 손상 정도 및 진행 정도를
반영하는 효과적인 검사 방법으로 유용하게 사용될 수 있다.

출력 일자: 2002/11/12

#### 【특허청구범위】

#### 【청구항 1】

- β ig-h3 단백질 또는 β ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질을 제조하는 단계(단계 1);
  - 2) 상기 단계 1의 단백질에 대한 항체를 제조하는 단계(단계 2); 및
- 3) 상기 단계 1의 단백질 및 단계 2의 항체를 항원-항체 반응을 이용한 정량방법에 사용하여 피검시료 중에 포함된 βig-h3 단백질의 양을 측정하는 단계(단계 3)를 포함하는 βig-h3의 정량방법.

#### 【청구항 2】

제 1항에 있어서, 상기 항원-항체 반응을 이용한 정량방법은 면역블릿팅, 면역침전법, ELISA 방법, RIA(Radioimmuno assay), 단백질칩, 래피드 어세이(rapid assay) 및 마이크로어레이(microarray)로 구성되는 군으로부터 선택되는 방법을 사용하는 것을 특징으로 하는 정량방법.

#### 【청구항 3】

제 1항에 있어서, 상기 단계 3의 βig-h3 단백질의 양을 측정하는 것은

- β ig-h3 단백질 또는 β ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질을 기질에 코팅시키는 단계(단계 1);
  - 2) 상기 단계 1의 단백질에 대한 항체를 피검시료와 반응시키는 단계(단계 2);

3) 단계 1의 흡착된 단백질에 단계 2의 반응물을 첨가하여 반응시킨 후 세척하는 단계(단계 3); 및

4) 단계 3의 반응물에 2차 항체를 첨가하여 반응시키고 흡광도를 측정하는 단계(단계 4)를 포함하는 것을 특징으로 하는 정량방법.

#### 【청구항 4】

제 1항 내지 제 3항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3 단백질은 서열번호 3으로 기재되는 아미노산 서열을 갖는 인간  $\beta$  ig-h3 단백질 또는 서열번호 5로 기재되는 아미노산 서열을 갖는 마우스  $\beta$  ig-h3 단백질인 것을 특징으로 하는 정량방법.

#### 【청구항 5】

제 1항 내지 제 3항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3의 파스-1 도메인은  $\beta$  ig-h3 단백질의 4번째 파스-1 도메인을 1개 또는 2개 내지 10개를 반복하여 연결한 것을 특징으로 하는 정량방법.

#### 【청구항 6】

제 5항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3의 파스-1 도메인은 서열번호 7, 서열번호 8, 서열번호 9 및 서열번호 10으로 구성되는 군으로부터 선택되는 것을 특징으로 하는 정량방법.

출력 일자: 2002/11/12

#### 【청구항 7】

제 1항에 있어서, 상기 피검시료는 신장 질환, 간 질환 또는 류마티스 환자의 소변, 혈액 또는 활막액을 포함하는 인체의 모든 체액인 것을 특징으로 하는 정량방법.

#### 【청구항 8】

eta ig-h3 단백질 또는 eta ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 재조합 단백질 및 eta ig-h3 단백질 또는 eta ig-h3의 파스-1 도메인에 대한 항체를 포함하는 신장 질환, 간 질환 또는 류마티스 질환에 대한 진단킷트.

#### 【청구항 9】

제 8항에 있어서, 완충용액, 2차 항체, 세척액, 반응정지액 또는 발색기질을 추가로 포함하는 것을 특징으로 하는 진단킷트.

#### 【청구항 10】

제 8항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3 단백질은 서열번호 3으로 기재되는 아미노산 서열을 갖는 인간  $\beta$  ig-h3 단백질 또는 서열번호 5로 기재되는 아미노산 서열을 갖는 마우스  $\beta$  ig-h3 단백질인 것을 특징으로 하는 진단킷트.

출력 일자: 2002/11/12

## 【청구항 11】

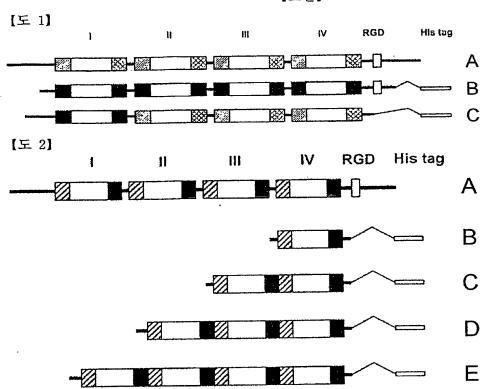
제 8항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3의 파스-1 도메인은  $\beta$  ig-h3 단백질의 4번째 파스-1 도메인을 1개 또는 2개 내지 10개를 반복하여 연결한 것을 특징으로 하는 진단킷트.

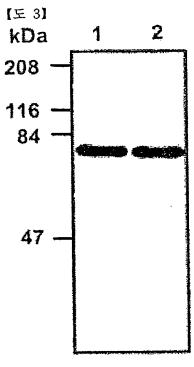
#### 【청구항 12】

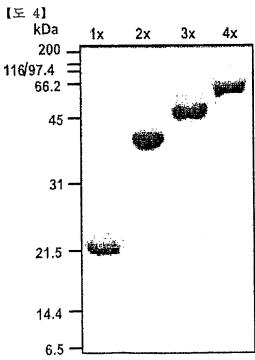
제 11항에 있어서, 상기  $\beta$  ig-h3의 파스-1 도메인은 서열번호 7, 서열번호 8, 서열번호 9 및 서열번호 10으로 구성되는 군으로부터 선택되는 것을 특징으로 하는 진단킷트.

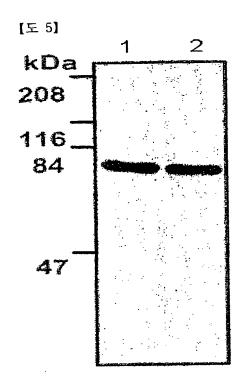


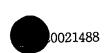
## 【도면】

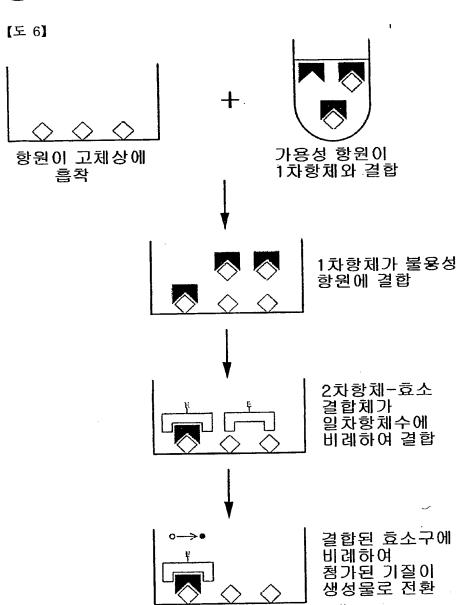








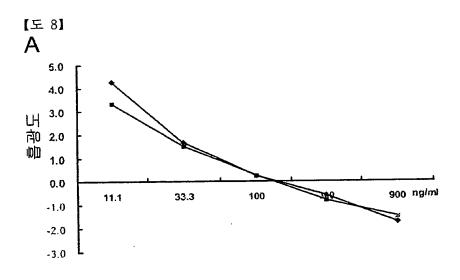


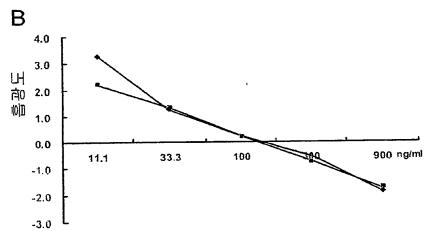


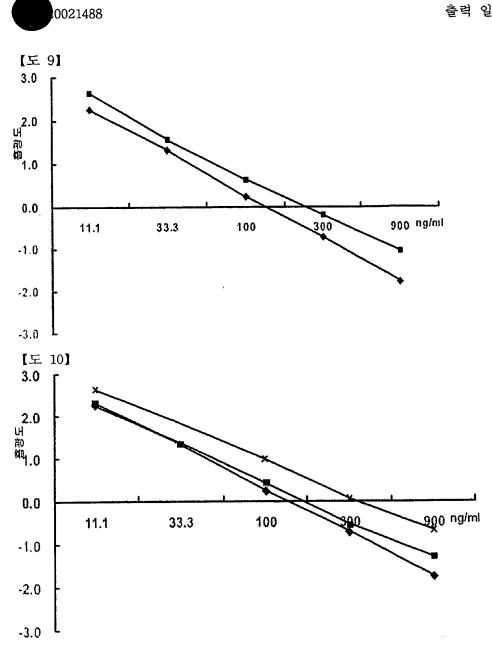
(도 7) 4.0 3.0 나 2.0 취이 1.0 이 0.0 -1.0

-2.0

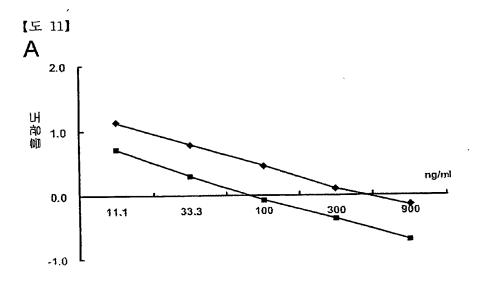
.0021488

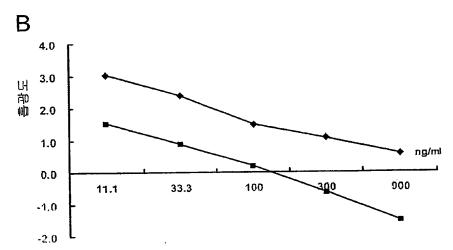






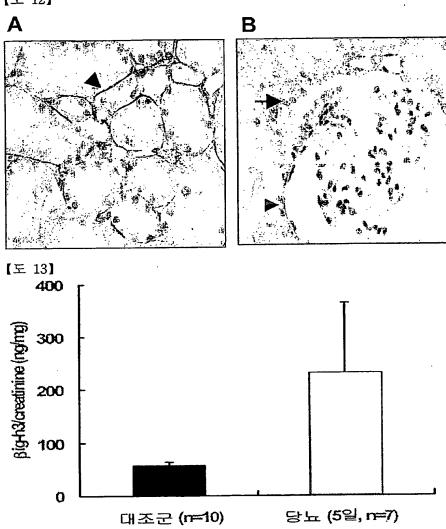
.0021488





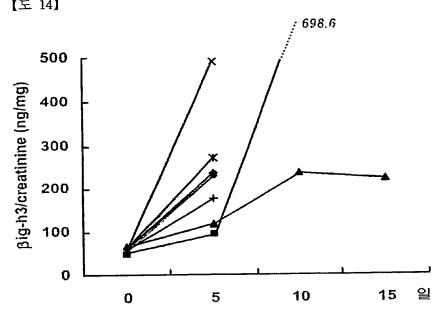




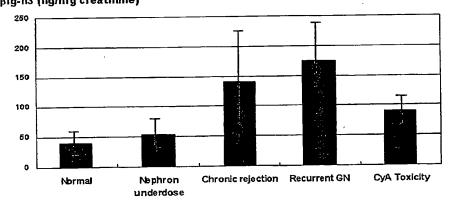








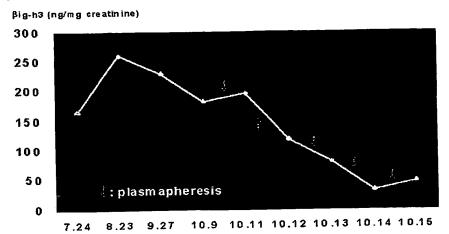
[도 15] βig-h3 (ng/mg creatinine)



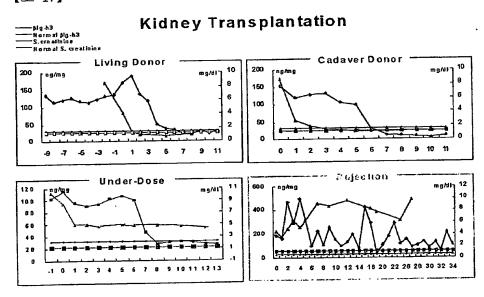
.0021488

출력 일자: 2002/11/12

【도 16】



[도 17]



【서열목록】

<110> KIM, In-San REGEN Biotech. Inc. <120> Method for measuring
quantity of  $\beta$  i g-h 3 and diagnosis ki <130> 2p-01-29 <160> 10 <170>
Kopatent In 1.71 <210> 1 <211> 683 <212> PRT <213> Homo sapiens <400>

1 Met Al	a Leu Phe Val A	rg Leu Leu Ala L	eu Ala Leu Ala	Leu Ala Leu 1	5
10	15	Gly Pro Ala Ala	Thr Leu Ala Gl	y Pro Ala Lys S	er Pro Tyr Gln
Leu	20	25		30 Val Leu	Gln His Ser Arg
Leu Arg	Gly Arg Gln His	Gly Pro Asn Val	35		40
45 Cys	Ala Val Gln Lys	Val Ile Gly Thr	Asn Arg Lys Ty	r Phe Thr Asn	50
55	60	Cys Lys Gln Trp	Tyr Gln Arg Ly	vs Ile Cys Gly I	ys Ser Thr Val
Ile 65		70	75	80	Ser Tyr Glu Cys
Cys Pro	Gly Tyr Glu Lys	Val Pro Gly Glu	Lys Gly	. 85	
90	95	Cys Pro Ala Ala	Leu Pro Leu So	er Asn Leu Tyr (	Glu Thr Leu Gly
Val	100	105	<b>5</b>	110 Val Gly	Ser Thr Thr Thr
Gln Leu	Tyr Thr Asp Arg	g Thr Glu Lys Leu	115	;	120
125 Ar	g Pro Glu Met G	lu Gly Pro Gly Se	er Phe Thr Ile	Phe Ala Pro Ser	130
135	140	) Asn Glu Ala Ti	rp Ala Ser Leu	Pro Ala Glu Val	Leu Asp Ser Leu
Val 145		150	155	160	Ser Asn Val Asn
Ile Glu	Leu Leu Asn Ala	a Leu Arg Tyr Hi	s Met Val	165	
170	17	5 Gly Arg Arg V	al Leu Thr Asp	Glu Leu Lys His	Gly Met Thr Leu
Thr	180	18	5	190 Ser Met	Tyr Gln Asn Ser
Asn Ile	e Gln Ile His Hi	s Tyr Pro Asn Gl	y 195		200
205 II	e Val Thr Val A	sn Cys Ala Arg L	eu Leu Lys Ala	Asp His His Ala	210
215	22	O Thr Asn Gly V	al Val His Leu	lle Asp Lys Val	He Ser Thr He
Thr 225	5	230	235	240	Asn Asn Ile Gln

Gln	Ile Ile Glu l	le Glu	ı Asp '	Thr F	he Glu	Thr	Leu				2	45				
250		255	5 Arg	Ala	Ala Va	l Ala	Ala	Ser	Gly	Leu	Asn	Thr	Met	Leu	Glu	Gly
Asn	2	260			265				2	70	Gly	Gln	Tyr	Thr	Leu	Leu
Ala	Pro Thr Asn (	Glu Ala	h Phe	Glu I	ys Ile		4	275				2	280			
285	Pro Ser Glu	Thr Le	eu Asn	Arg	lle Le	u Gly	Asp	Pro	Glu	Ala	Leu	Arg		290		
295		300	) Asp	Leu	Leu As	n Asn	His	Ile	Leu	Lys	Ser	Ala	Met	Cys	Ala	Glu
Ala	305		310				315				3	320	Ile	Val	Ala	Gly
Leu	Ser Val Glu '	Thr Le	ı Glu	Gly 7	Thr Thr	Leu	Glu				3	325				
330		33	5 Val	Gly	Cys Se	er Gly	Asp	Met	Leu	Thr	Ile	Asn	Gly	Lys	Ala	Ile
Ile		340			345	5			3	350	Ser	Asn	Lys	Asp	Ile	Leu
Ala	Thr Asn Gly	Val Il	e His	Tyr	lle Ası	)		355				;	360			
365	Glu Leu Leu	Ile P	ro Asp	Ser	Ala L	rs Thu	Leu	Phe	Glu	Leu	Ala	Ala		370		
375		38	0 Gli	Ser	Asp Va	al Sei	Thr	Ala	Ile	Asp	Leu	Phe	Arg	Gln	Ala	Gly
Leu	385		390				395					400	Gly	Asn	His	Leu
Ser	Gly Ser Glu	Arg Le	u Thr	Leu	Leu Al	a Pro	Leu					405				
410		41	5 Ası	ı Ser	Val P	ne Lys	s Asp	Gly	Thr	Pro	Pro	Ile	Asp	Ala	His	Thr
Arg		420			42	ō				430	Asn	Leu	Leu	Arg	Asn	His
Ile	Ile Lys Asp	Gln Le	u Ala	Ser	Lys Ty	r		435					440			
445	Leu Tyr His	Gly G	ln Thi	Leu	Glu T	nr Le	u Gly	r Gly	Lys	Lys	Leu	Arg	;	450		
455		46	0 Va	l Phe	Val T	yr Ar	g Asr	ı Ser	Leu	Cys	Ile	Glu	Asn	Ser	Cys	Ile
Ala	465		470				475					480	Ala	His	Asp	Lys

.0021488

출력 일자: 2002/11/12

485 Arg Gly Arg Tyr Gly Thr Leu Phe Thr Met Asp Arg 495 Val Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly 490 510 Asn Arg Phe Ser Met Leu 505 500 Asp 520 Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr 515 Glu Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn 530 525 540 Glu Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu 535 560 Asp Ala Lys Glu 555 550 Gly 545 565 Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu 575 Ile Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg Leu Lys Ser 570 590 Gln Gly Asp Lys Leu Glu 585 580 Leu 600 595 Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val 605 Asn Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val 610 620 Val His Val Ile Thr Asn Val Leu Gln Pro Pro Ala Asn Arg Pro 615 640 Glu Arg Gly Asp 635 630 Gln 625 Glu Leu Ala Asp Ser Ala Leu Glu Ile Phe Lys Gln 645 655 Ala Ser Ala Phe Ser Arg Ala Ser Gln Arg Ser Val Arg Leu Ala 650 670 Val Tyr Gln Lys Leu Leu 665 660 Pro 2 <211> <210> 680 675 Glu Arg Met Lys His 2 gcttgcccgt cggtcgctag ctcgctcggt Homo sapiens <400> 2691 <212> DNA <213> 60 tgcggctgct ggctctcgcc ctggctctgg gcgcgtcgtc ccgctccatg gcgctcttcg

ccctgggccc cgccgcgacc ctggcgggtc

120 ccgccaagtc gccctaccag ctggtgctgc

0021488

agcacagcag gctccggggc cgccagcacg ttggcactaa taggaagtac ttcaccaact gcaaatcaac agtcatcagc tacgagtgct agggctgtcc agcagcccta ccactctcaa ccaccaccac tcagctgtac acggaccgca ccggcagett caccatette geceetagea tgctggactc cctggtcagc aatgtcaaca tggtgggcag gcgagtcctg actgatgagc accagaattc caacatccag atccaccact cccggctcct gaaagccgac caccatgcaa tcatctccac catcaccaac aacatccagc cccttcgggc tgctgtggct gcatcagggc acacgctttt ggccccgacc aatgaggcct gtatcctggg cgacccagaa gccctgagag ctatgtgtgc tgaagccatc gttgcggggc tggaggtggg ctgcagcggg gacatgctca aagacatcct agccaccaac ggggtgatcc cagccaagac actatttgaa ttggctgcag tcagacaagc cggcctcggc aatcatctct ccctgaattc tgtattcaaa gatggaaccc ttcggaacca cataattaaa gaccagctgg

180 gccccaacgt gtgtgctgtg cagaaggtta 240 gcaagcagtg gtaccaaagg aaaatctgtg 300 gtcctggata tgaaaaggtc cctggggaga 360 acctttacga gaccctggga gtcgttggat 420 cggagaagct gaggcctgag atggaggggc 480 acgaggeetg ggeeteettg ceagetgaag ·540 ttgagctgct caatgccctc cgctaccata 600 tgaaacacgg catgaccctc acctctatgt 660 atcctaatgg gattgtaact gtgaactgtg 720 ccaacggggt ggtgcacctc atcgataagg 780 agatcattga gatcgaggac acctttgaga 840 tcaacacgat gcttgaaggt aacggccagt 900 tcgagaagat ccctagtgag actttgaacc 960 acctgctgaa caaccacatc ttgaagtcag 1020 tgtctgtaga gaccctggag ggcacgacac 1080 ctatcaacgg gaaggcgatc atctccaata 1140 actacattga tgagctactc atcccagact 1200 agtctgatgt gtccacagcc attgaccttt 1260 ctggaagtga gcggttgacc ctcctggctc 1320 ctccaattga tgcccataca aggaatttgc 1380 cctctaagta tctgtaccat ggacagaccc

0021488

tggaaactct gggcggcaaa aaactgagag agaacagctg catcgcggcc cacgacaaga accgggtgct gacccccca atggggactg ttagcatgct ggtagctgcc atccagtctg gagtctacac agtctttgct cccacaaatg ggagcagact cttgggagat gccaaggaac atgaaatcct ggttagcgga ggcatcgggg acaagctgga agtcagcttg aaaaacaatg agcctgacat catggccaca aatggcgtgg cagccaacag acctcaggaa agaggggatg aacaagcatc agcgttttcc agggcttccc aaaagttatt agagaggatg aagcattagc cagctctccg ccaatttctc tcagatttcc agtatcacac tttaatgtac atgggccgca ggggaggagg gagagagatg tactttttaa ccactgcatg cagaaacttg gatgtcactg ccaaatgtgg aattgactgc ctatgccaag gctcataaaa catgaatcaa gcaatccagc aagcccttgc acagctggag aaatggcatc aaatgtgtct cacatctaca cgtggcttgg aagaaatggt atgtagagct tagatttccc 1440 tttttgttta tcgtaatagc ctctgcattg 1500 gggggaggta cgggaccctg ttcacgatgg 1560 tcatggatgt cctgaaggga gacaatcgct 1620 caggactgac ggagaccete aaccgggaag 1680 aagcetteeg ageeetgeea eeaagagaac 1740 ttgccaacat cctgaaatac cacattggtg 1800 ccctggtgcg gctaaagtct ctccaaggtg 1860 tggtgagtgt caacaaggag cctgttgccg 1920 tccatgtcat caccaatgtt ctgcagcctc 1980 aacttgcaga ctctgcgctt gagatcttca 2040 agaggtetgt gegactagee cetgtetate 2100 ttgaagcact acaggaggaa tgcaccacgg 2160 acagagactg tttgaatgtt ttcaaaacca 2220 ccataatgag atgtgagcct tgtgcatgtg 2280 atcatgttcc ccctaaacat ggctgttaac 2340 cctgacattc acttccagag aggacctatc 2400 tccctggaaa aggagcttca gtattgtggg 2460 ctcatgggaa gtcctggcac agtttttgta 2520 attataagct atgagttgaa atgttctgtc 2580 aggettttat ggggccctgt ccaggtagaa 2640 tattgtgaca gagccatggt gtgtttgtaa

taataaa	acc aaagaaaca	at a	2	691 <	210>	3 <23	1>	585 <	212>	PRT	<
213>	Homo sapien	s <220> <221	> PEP	TIDE <	<222>	(1).	. (585)	<223>	. 69	to 6	53
amino a	cid sequence	of human ID	No.1 <40	)0>	3 Tyr	Gln Ar	g Lys	Ile Cy	ys Gly	Lys S	er
Thr Val	Ile Ser Tyr	Glu Cys 1			5			10			
15 Cys	Pro Gly Tyr	Glu Lys Val	Pro Gly	Glu L	ys Gly	Cys Pr	o Ala	Ala	•	:	20
25		30 Leu Pro	Leu Ser	Asn L	eu Tyr	Glu Th	ır Leu	Gly Va	al Val	Gly S	er
Thr	35		40			45 1	Thr Th	r Gln I	Leu Tyr	Thr	Asp
Arg Thi	· Glu Lys Leu	Arg Pro Glu	ı Met	50			55				60
Glu Gly	Pro Gly Ser	Phe Thr Ile	e Phe Ala	Pro S	Ser Asn	Glu A	la Trp	65			
70		75		80 A	Ala Ser	Leu P	ro Ala	Glu V	al Leu	Asp S	Ser
Leu Va	l Ser Asn Val	Asn		85			90				95
Ile Gli	ı Leu Leu Asr	Ala Leu Ar	g Tyr His	Met V	Val Gly	Arg A	rg Val			100	
105		110 Leu T	hr Asp Gl	u Leu	Lys Hi	s Gly	Met Th	r Leu	Thr Se	r Met	Tyr
Gln	115		120			125	Asn Se	r Asn	Ile Gl	n Ile	His
His Ty	r Pro Asn Gly	/ Ile Val Th	r Val	130			135	•		:	140
Asn Cy	s Ala Arg Lei	ı Leu Lys Al	a Asp His	His A	Ala Thr	Asn G	ly Val	145			
150		155		160	Val Hi	s Leu	Ile As	sp Lys	Val Il	e Ser	Thr
Ile Th	r Asn Asn Ile	e Gln		165			170	)			175
Gln II	e Ile Glu Il	e Glu Asp Th	r Phe Glu	ı Thr l	Leu Arg	, Ala A	ala Val	i		180	
185		190 Ala A	la Ser Gl	ly Leu	Asn Th	ır Met	Leu G	lu Gly	Asn G	y Gln	Tyr
Thr	195		200			205	Leu Le	eu Ala	Pro Th	ır Asn	Glu

출력 일자: 2002/11/12

220 210 215 Ala Phe Glu Lys Ile Pro Ser Glu Thr Leu Asn Arg Ile Leu Gly Asp Pro Glu Ala Leu Arg Asp Leu Leu Asn 225 240 Asn His Ile Leu Lys Ser Ala Met Cys Ala 235 230 255 250 245 Glu Ala Ile Val Ala Gly 260 Leu Ser Val Glu Thr Leu Glu Gly Thr Thr Leu Glu Val Gly Cys Ser 270 Gly Asp Met Leu Thr Ile Asn Gly Lys Ala Ile Ile Ser Asn Lys 265 285 Ile Leu Ala Thr Asn Gly Val 280 275 Asp 300 295 290 Ile His Tyr Ile Asp Glu Leu Leu Ile Pro Asp Ser Ala Lys Thr Leu Phe Glu Leu Ala Ala Glu Ser Asp Val 305 Ser Thr Ala Ile Asp Leu Phe Arg Gln Ala 320 315 310 335 330 325 Gly Leu Gly Asn His Leu Ser Gly Ser Glu Arg Leu Thr Leu Leu Ala Pro Leu Asn Ser Val Phe 340 350 Lys Asp Gly Thr Pro Pro Ile Asp Ala His Thr Arg Asn Leu Leu 345 365 Asn His Ile Ile Lys Asp Gln 360 355 Arg 380 375 370 Leu Ala Ser Lys Tyr Leu Tyr His Gly Gin Thr Leu Glu Thr Leu Gly Gly Lys Lys Leu Arg Val Phe Val Tyr 385 Arg Asn Ser Leu Cys Ile Glu Asn Ser Cys 400 395 390 415 410 405 Ile Ala Ala His Asp Lys Arg Gly Arg Tyr Gly Thr Leu Phe Thr Met Asp Arg Val Leu Thr Pro 420 430 Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe 425 445 Met Leu Val Ala Ala Ile Gln 440 435 Ser

Ser Ala Gly Leu Thr (	Glu Thr Leu Asn	450	455	460
Arg Glu Gly Val Tyr	Thr Val Phe Ala Pro	Thr Asn Glu Ala Ph	e Arg 465	
470	475	480 Ala Leu Pro P	ro Arg Glu Arg S	er Arg Leu
Leu Gly Asp Ala Lys	Glu	485	490	495
Leu Ala Asn Ile Leu	Lys Tyr His Ile Gly	Asp Glu Ile Leu Va	l Ser	500
505	510 Gly Gly Ile Gl	y Ala Leu Val Arg L	eu Lys Ser Leu G	aln Gly Asp
Lys 515	520	525 <sub>,</sub> I	eu Glu Val Ser L	eu Lys Asn
Asn Val Val Ser Val	Asn Lys Glu Pro	530	535	540
Val Ala Glu Pro Asp	Ile Met Ala Thr Asn	Gly Val Val His Va	al Ile 545	
550	555	560 Thr Asn Val I	Leu Gln Pro Pro	Ala Asn Arg
Pro Gln Glu Arg Gly	Asp	565	570	575
Glu Leu Ala Asp Ser	Ala Leu Glu Ile	580	585 <	210> 4
<211> 1857 <212>	DNA <213> Mo	ouse Intracisternal	A-particle <400	> 4
gcaggtcccg ccaagtca	cc ctaccagctg gtgctg	gcagc atagccggct cc	ggggtcgc	60
cagcacggcc ccaatgta	tg tgctgtgcag aaggt	cattg gcaccaacaa ga	aatacttc	120
accaactgca agcagtgg	ta ccagaggaag atctg	cggca agtcgacagt ca	tcagttat	180
gagtgctgtc ctggatat	ga-aaaggtccca ggaga	gaaag gttgcccagc ag	ctcttccg	240
	gac catgggagtt gtggg			300
gaçegeacag aaaagetg	gag gcctgagatg gaggg	acccg gaagcttcac ca	itctttgct	360
•	gtc ttccttgcct gcgga			420
	caa tgctctccgc tacca	•		480

gatgagetea ageaeggeat gacceteace tecatgtace agaatteeaa cateeagate	540
catcactate ccaatgggat tgtaactgtt aactgtgeee ggetgetgaa ggetgaceae	600
catgcgacca acggcgtggt gcatctcatt gacaaggtca tttccaccat caccaacaac	660
atccagcaga tcattgaaat cgaggacacc tttgagacac ttcgggccgc cgtggctgca	720
tcaggactca ataccgtgct ggagggcgac ggccagttca cactcttggc cccaaccaac	780
gaggcctttg agaagatccc tgccgagacc ttgaaccgca tcctgggtga cccagaggca	840
ctgagagacc tgctaaacaa ccacatcctg aagtcagcca tgtgtgctga ggccattgta	900
gctggaatgt ccatggagac cctggggggc accacactgg aggtgggctg cagtggggac	960
aagctcacca tcaacgggaa ggctgtcatc tccaacaaag acatcctggc caccaacggt	1020
gtcattcatt tcattgatga gctgcttatc ccagattcag ccaagacact gcttgagctg	1080
gctggggaat ctgacgtctc cactgccatt gacatcctca aacaagctgg cctcgatact	1140
catctctctg ggaaagaaca gttgaccttc ctggcccccc tgaattctgt gttcaaagat	1200
ggtgtccctc gcatcgacgc ccagatgaag actttgcttc tgaaccacat ggtcaaagaa	1260
cagttggcct ccaagtatct gtactctgga cagacactgg acacgctggg tggcaaaaag	1320
ctgcgagtct ttgtttatcg aaatagcctc tgcattgaaa acagctgcat tgctgcccat	1380
gataagaggg gacggtttgg gaccctgttc accatggacc ggatgttgac acccccaatg	1440
gggacagtta tggatgtcct gaagggagac aatcgtttta gcatgctggt ggccgccatc	1500
cagtctgcag gactcatgga gatcctcaac cgggaagggg tctacactgt ttttgctccc	1560
accaatgaag cgttccaagc catgcctcca gaagaactga acaaactctt ggcaaatgcc	1620
aaggaactta ccaacatcct gaagtaccac attggtgatg aaatcctggt tagcggaggc	1680
atcggggccc tggtgcggct gaagtctctc caaggggaca aactggaagt cagctcgaaa	1740

출력 일자: 2002/11/12

1800 aacaatgtag tgagtgtcaa taaggagcct gttgccgaaa ccgacatcat ggccacaaac 1857 <210> ggtgtggtct atgccatcaa cactgttctg cagccgccag ccaaccgacc acaagaa Mouse Intracisternal A-particle <220> <221> PRT <213> 609 <212> 5 <211> 23 to 641 amino acid sequence of mouse <400> (1)..(609) <223> PEPTIDE <222> 5 Ala Gly Pro Ala Lys Ser Pro Tyr Gln Leu Val Leu Gln His Ser Arg 5 15 Leu Arg Gly Arg Gln His Gly Pro Asn Val Cys Ala Val Gln Lys 10 30 Ile Gly Thr Asn Arg Lys 25 20 Val 40 35 Tyr Phe Thr Asn Cys Lys Gln Trp Tyr Gln 45 Arg Lys Ile Cys Gly Lys Ser Thr Val Ile Ser Tyr Glu Cys Cys Pro 50 60 Gly Tyr Glu Lys Val Pro Gly Glu Lys Gly Cys Pro Ala Ala Leu 55 80 Leu Ser Asn Leu 75 70 Pro 65 85 Tyr Glu Thr Leu Gly Val Val Gly Ser Thr Thr Thr 95 Gln Leu Tyr Thr Asp Arg Thr Glu Lys Leu Arg Pro Glu Met Glu 90 110 Pro Gly Ser Phe Thr Ile 100 105 Gly 120 Phe Ala Pro Ser Asn Glu Ala Trp Ala Ser 115 125 Leu Pro Ala Glu Val Leu Asp Ser Leu Val Ser Asn Val Asn Ile Glu 130 140 Leu Leu Asn Ala Leu Arg Tyr His Met Val Gly Arg Arg Val Leu 135 160 Asp Glu Leu Lys 155 150 Thr 145 165 His Gly Met Thr Leu Thr Ser Met Tyr Gln Asn Ser 175 Asn Ile Gln Ile His His Tyr Pro Asn Gly Ile Val Thr Val Asn 170 190 Ala Arg Leu Leu Lys Ala 185 180 Cys

출력 일자: 2002/11/12

200 195 Asp His His Ala Thr Asn Gly Val Val His 205 Leu Ile Asp Lys Val Ile Ser Thr Ile Thr Asn Asn Ile Gln Gln Ile 210 Ile Glu Ile Glu Asp Thr Phe Glu Thr Leu Arg Ala Ala Val Ala 215 Ser Gly Leu Asn 240 235 Ala 225 230 245 Thr Met Leu Glu Gly Asn Gly Gln Tyr Thr Leu Leu 255 Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe Glu Lys Ile Pro Ser Glu Thr Leu 250 270 Arg Ile Leu Gly Asp Pro 265 260 Asn 280 275 Glu Ala Leu Arg Asp Leu Leu Asn Asn His Ile Leu Lys Ser Ala Met Cys Ala Glu Ala Ile Val Ala Gly Leu Ser 290 285 300 Val Glu Thr Leu Glu Gly Thr Thr Leu Glu Val Gly Cys Ser Gly 295 Met Leu Thr Ile 315 320 310 Asp 305 325 Asn Gly Lys Ala Ile Ile Ser Asn Lys Asp Ile Leu 335 Ala Thr Asn Gly Val IIe His Tyr Ile Asp Glu Leu Leu Ile Pro 330 Ser Ala Lys Thr Leu Phe 350 340 345 Asp 360 355 Glu Leu Ala Ala Glu Ser Asp Val Ser Thr 365 Ala Ile Asp Leu Phe Arg Gln Ala Gly Leu Gly Asn His Leu Ser Gly 370 380 Ser Glu Arg Leu Thr Leu Leu Ala Pro Leu Asn Ser Val Phe Lys 375 Gly Thr Pro Pro 400 395 390 Asp 385 405 Ile Asp Ala His Thr Arg Asn Leu Leu Arg Asn His 415 Ile Ile Lys Asp Gln Leu Ala Ser Lys Tyr Leu Tyr His Gly Gln 410 430 Leu Glu Thr Leu Gly Gly 420 425 Thr

aatgccaagg aacttaccaa

일자: 2002/11/12

440 435 Lys Lys Leu Arg Val Phe Val Tyr Arg Asn 450 445 Ser Leu Cys Ile Glu Asn Ser Cys Ile Ala Ala His Asp Lys Arg Gly 460 Arg Tyr Gly Thr Leu Phe Thr Met Asp Arg Val Leu Thr Pro Pro 455 480 Gly Thr Val Met 475 470 Met 465 485 Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe Ser Met Leu 495 Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu Thr Leu Asn Arg 490 510 Gly Val Tyr Thr Val Phe 505 500 Glu 520 515 Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg Ala Leu 530 525 Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala 540 Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly 535 560 Ile Gly Ala Leu 555 550 Gly 545 565 Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu Glu 575 Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn Lys Glu Pro Val 570 590 Glu Pro Asp Ile Met Ala 585 580 Ala 600 595 Thr Asn Gly Val Val His Val Ile Thr Asn Artificial Sequence <220> < 605 Val <210> 6 <211> 391 <212> DNA <213> 6 gtttgggacc ctgttcacca tggaccggat gttgacaccc  $\beta$  ig-h3 D-IV <400> 223> 60 tgtcctgaag ggagacaatc gttttagcat gctggtggcc ccaatgggga cagttatgga 120 catggagatc ctcaaccggg aaggggtcta cactgttttt gccatccagt ctgcaggact 180 ccaagccatg cctccagaag aactgaacaa actcttggca gctcccacca atgaagcgtt 240 catectgaag taccacattg gtgatgaaat cctggttagc

.0021488

출력 일자: 2002/11/12

300 gcggctgaag tctctccaag gggacaaact ggaagtcagc ggaggcatcg gggccctggt 360 tgtcaataag gagcctgttg ccgaaaccga c tcgaaaaaca atgtagtgag Artificial Sequence <220> <223> PRT <213> 140 <212> 7 <211> 391 <210> 7 Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met  $\beta$  ig-h3 D-IV(1X) amino acid sequence <400> 10 5 Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn 1 20 15 Arg Phe Ser Met Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu 30 Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn 25 45 Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro 40 35 Glu 60 55 50 Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile 65 80 Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala Leu Val 75 70 95 90 85 Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn 100 110 Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val 105 125 His Val Ile Thr Asn Val Leu 120 115 Val 8 <211> 140 <210> 130 135 Gln Pro Pro Ala Asn  $\beta$  ig-h3 D-IV(2X) Artificial Sequence <220> <223> PRT <213> 280 <212> 8 Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys amino acid sequence <400> 15 Arg Phe Ser 10 5 Gly Asp Asn 20 Met Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu 30 Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn 25

.0021488

출력 일자: 2002/11/12

45 Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro 35 40 Glu 60 55 50 Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile 65 80 Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala Leu Val 70 75 95 90 85 Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn 100 110 Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val 105 125 His Val Ile Thr Asn Val Leu 120 115 Val 140 135 Gln Pro Pro Ala Asn Leu Thr Pro Pro 130 Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe Ser Met 145 Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu 160 155 150 175 170 165 Thr Glu Thr Leu Asn Arg 180 Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg Ala 190 Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu 185 205 Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His 195 200 Leu 220 215 Ile Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly 210 Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu 225 240 Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser 235 230 255 250 245 Val Asn Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val Val His Val Ile Thr 260 275 270 Asn Val Leu Gln Pro Pro Ala Asn 265

출력 일자: 2002/11/12

Artificial Sequence <220> <223> PRT <213> 9 <211> 420 <212> 280 <210> 9 Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met  $\beta$  ig-h3 D-IV(3X) amino acid sequence <400> · 10 Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn 1 20 15 Arg Phe Ser Met Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu 30 Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn 25 45 Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro 40 35 Glu 60 55 50 Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile 65 80 Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala Leu Val 75 70 95 90 85 Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn 100 110 Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val 105 His Val Ile Thr Asn Val Leu 120 115 Val 140 135 130 Gln Pro Pro Ala Asn Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe Ser Met 145 160 Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu 155 150 175 170 165 Thr Glu Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg Ala 180 190 Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu 185 205 Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His 200 195 Leu 220 215 Ile Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly 210

10

출력 일자: 2002/11/12

Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu 225

240 Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser 235 230 255 250 245 Val Asn Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val Val His Val Ile Thr 260 270 Asn Val Leu Gln Pro Pro Ala Asn Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr 265 285 Met Asp Val Leu Lys Gly Asp 280 275 Val 300 295 290 Asn Arg Phe Ser Met Leu Val Ala Ala lle Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr 305 Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe 320 310 315 335 330 325 Arg Ala Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu 340 350 Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly 345 365 Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu 360 355 Ala 380 375 Gln Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu 370 Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro Asp 385 Ile Met Ala Thr Asn Gly Val Val His Val 390 395 415 410 405 lle Thr Asn Val Leu Gln PRT <213> 560 <212> 10 <211> 420 <210> Pro Pro Ala Asn  $\beta$  ig-h3 D-IV(4X) amino acid sequence <400> 10 Artificial Sequence <220> <223> 5 Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn

15 Arg Phe Ser Met Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr

250

출력 일자: 2002/11/12

30 Thr Leu Asn Arg Glu Gly 25 20 Glu · 40 35 Val Tyr Thr Val Phe Ala Pro Thr Asn Glu 45 Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp 50 60 Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu 55 Leu Val Ser Gly 75 70 Ile .65 85 Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln 95 Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu Lys Asn Asn Val Val Ser Val 90 110 Lys Glu Pro Val Ala Glu 105 100 Asn 120 115 Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val Val His Val Ile Thr Asn Val Leu Gln Pro Pro Ala Asn Leu Thr Pro Pro 130 140 Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe Ser 135 Leu Val Ala Ala 160 155 150 Met 145 165 Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu Thr Leu Asn Arg 175 Glu Gly Val Tyr Thr. Val Phe Ala Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg 170 190 Leu Pro Pro Arg Glu Arg 185 180 Ala 200 195 Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu 205 Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly 210 220 Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys 215 240 Glu Val Ser Leu 235 230 Leu 225 245 Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn Lys Glu Pro Val

255 Ala Glu Pro Asp Ile Met Ala Thr Asn Gly Val Val His Val Ile

출력 일자: 2002/11/12

270 Asn Val Leu Gln Pro Pro 265 Thr 260 280 275 Ala Asn Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val Leu Lys Gly Asp Asn Arg Phe Ser Met Leu Val Ala Ala 290 300 Ile Gln Ser Ala Gly Leu Thr Glu Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val 295 Thr Val Phe Ala 315 310 Tyr 305 325 Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro Arg 335 Glu Arg Ser Arg Leu Leu Gly Asp Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile 330 350 Lys Tyr His Ile Gly Asp 345 340 Leu 360 355 Glu Ile Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala 365 Leu Val Arg Leu Lys Ser Leu Gln Gly Asp Lys Leu Glu Val Ser Leu 370 380 Lys Asn Asn Val Val Ser Val Asn Lys Glu Pro Val Ala Glu Pro 375 Ile Met Ala Thr 400 395 390 Asp 385 405 Asn Gly Val Val His Val Ile Thr Asn Val Leu Gln 415 Pro Pro Ala Asn Leu Thr Pro Pro Met Gly Thr Val Met Asp Val 410 430 Lys Gly Asp Asn Arg Phe 425 420 Leu 440 Ser Met Leu Val Ala Ala Ile Gln Ser Ala 435 445 Gly Leu Thr Glu Thr Leu Asn Arg Glu Gly Val Tyr Thr Val Phe Ala 460 Pro Thr Asn Glu Ala Phe Arg Ala Leu Pro Pro Arg Glu Arg Ser 455 480 Leu Leu Gly Asp 475 470 Arg 465 485 Ala Lys Glu Leu Ala Asn Ile Leu Lys Tyr His Ile 495 Gly Asp Glu Ile Leu Val Ser Gly Gly Ile Gly Ala Leu Val Arg 490

# This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

## **BEST AVAILABLE IMAGES**

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

BLACK BORDERS

IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES

FADED TEXT OR DRAWING

BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING

SKEWED/SLANTED IMAGES

COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS

GRAY SCALE DOCUMENTS

LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT

REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY

## IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

OTHER: \_\_\_\_\_

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.